Document made available under the Patent Cooperation Treaty (PCT)

International application number: PCT/JP05/003232

International filing date: 21 February 2005 (21.02.2005)

Document type: Certified copy of priority document

Document details: Country/Office: JP

Number: 2004-045489

Filing date: 20 February 2004 (20.02.2004)

Date of receipt at the International Bureau: 07 April 2005 (07.04.2005)

Remark: Priority document submitted or transmitted to the International Bureau in

compliance with Rule 17.1(a) or (b)



日本 国 特 許 庁 21.02.2005 JAPAN PATENT OFFICE

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日 Date of Application: 2004年 2月20日

出願番号

特願2004-045489

Application Number: [ST. 10/C]:

[JP2004-045489]

出 願 人 Applicant(s): 財団法人 東京都医学研究機構

東レ株式会社

特言

特許庁長官 Commissioner, Japan Patent Office 2005年 3月24日

)· "



特許願 【書類名】 P04-0110 【整理番号】 平成16年 2月20日 【提出日】 特許庁長官 殿 【あて先】 C12N 7/00 【国際特許分類】 C12N 15/00 【発明者】 東京都板橋区成增3丁目37番1号302号室 【住所又は居所】 脇田 隆字 【氏名】 【発明者】 愛知県名古屋市瑞穂区松月町1丁目41番地 エミネンス石川橋 【住所又は居所】 206号 加藤 孝宣 【氏名】 【発明者】 神奈川県川崎市中原区新城3丁目13番5号 テラス新城303 【住所又は居所】 号室 伊達 朋子 【氏名】 【発明者】 東京都府中市本宿町1丁目32番1号 サンライズヒル7-20 【住所又は居所】 2号室 宮本 道子 【氏名】 【発明者】 神奈川県鎌倉市手広1111番地 東レ株式会社 基礎研究所 【住所又は居所】 医薬研究所内 田邊 純一 【氏名】 【発明者】 神奈川県鎌倉市手広1111番地 東レ株式会社 基礎研究所 【住所又は居所】 医薬研究所内 曽根 三郎 【氏名】 【特許出願人】 591063394 【識別番号】 財団法人 東京都医学研究機構 【氏名又は名称】 【特許出願人】 【識別番号】 000003159 東レ株式会社 【氏名又は名称】 【代理人】 100091096 【識別番号】 【弁理士】 平木 祐輔 【氏名又は名称】 【選任した代理人】 100096183 【識別番号】 【弁理士】 石井 貞次 【氏名又は名称】 【選任した代理人】

100118773

藤田 節

【識別番号】 【弁理士】

【氏名又は名称】

【選任した代理人】

【識別番号】 100119183

【弁理士】

【氏名又は名称】 松任谷 優子

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 015244 【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 特許請求の範囲 1

 【物件名】
 明細書 1

 【物件名】
 図面 1

 【物件名】
 要約書 1

【書類名】特許請求の範囲

【請求項1】

遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスのゲノムRNAの、5'非翻訳領域、coreタンパク質コード 配列、E1タンパク質コード配列、E2タンパク質コード配列、NS2タンパク質コード配列、N S3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質コード配列、NS4Bタンパク質コード配列、NS5A タンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コード配列、及び3'非翻訳領域と、少なくとも1 つの選択マーカー遺伝子及び/又は少なくとも1つのリポーター遺伝子と、少なくとも1 つのIRES配列と、を含む塩基配列からなる、レプリコンRNA。

【請求項2】

前記塩基配列が、前記の5'非翻訳領域、少なくとも1つの選択マーカー遺伝子及び/又 は少なくとも1つのリポーター遺伝子、少なくとも1つのIRES配列、coreタンパク質コー ド配列、E1タンパク質コード配列、E2タンパク質コード配列、NS2タンパク質コード配列 、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質コード配列、NS4Bタンパク質コード配列、N S5Aタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コード配列、及び3'非翻訳領域を、5'から3' 方向へこの順番で含む、請求項1記載のレプリコンRNA。

【請求項3】

遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスのゲノムRNAが、配列番号12に示す塩基配列からなるR NAである、請求項1又は2記載のレプリコンRNA。

【請求項4】

5'非翻訳領域が配列番号1に示す塩基配列からなり、coreタンパク質コード配列が配列 番号2に示す塩基配列からなり、E1タンパク質コード配列が配列番号3に示す塩基配列か らなり、E2タンパク質コード配列が配列番号4に示す塩基配列からなり、NS2タンパク質 コード配列が配列番号 5 に示す塩基配列からなり、NS3タンパク質コード配列が配列番号 6に示す塩基配列からなり、NS4Aタンパク質コード配列が配列番号7に示す塩基配列から なり、NS4Bタンパク質コード配列が配列番号8に示す塩基配列からなり、NS5Aタンパク質 コード配列が配列番号9に示す塩基配列からなり、NS5Bタンパク質コード配列が配列番号 10に示す塩基配列からなり、3'非翻訳領域が配列番号11に示す塩基配列からなる、請 求項1~3のいずれか1項記載のレプリコンRNA。

【請求項5】

以下の(a)又は(b)のRNAからなるレプリコンRNA。

- (a) 配列番号13に示す塩基配列からなるRNA。
- (b) 配列番号13に示す塩基配列において1~100個の塩基が欠失、置換又は付加され た塩基配列からなるRNAであって、自律複製能及びウイルス粒子産生能を有するRNA。

【請求項6】

請求項1~5のいずれか1項記載のレプリコンRNAを細胞に導入することを含む、該レ プリコンRNAを複製しかつウイルス粒子を産生する細胞を製造する方法。

【請求項7】

細胞が増殖性細胞である、請求項6記載の方法。

【請求項8】

細胞が真核細胞である、請求項6又は7記載の方法。

【請求項9】

真核細胞がヒト肝由来細胞、ヒト子宮頸由来細胞、又はヒト胎児腎由来細胞である、請 求項8記載の方法。

【請求項10】

真核細胞がHuh7細胞、HepG2細胞、IMY-N9細胞、HeLa細胞、又は293細胞である、請求項 8記載の方法。

【請求項11】

請求項6~10のいずれか1項記載の方法により製造される、レプリコンRNAを複製し かつウイルス粒子を産生する細胞。

【請求項12】

請求項11記載の細胞を培養してウイルス粒子を産生させることを含む、C型肝炎ウイ ルス粒子の製造方法。

【請求項13】

請求項12記載の方法により製造される、C型肝炎ウイルス粒子。

請求項11記載の細胞を培養し、培養物中のウイルス粒子を他の細胞に感染させること を含む、C型肝炎ウイルス感染細胞を製造する方法。

【請求項15】

請求項14記載の方法によって製造される、C型肝炎ウイルス感染細胞。

【請求項16】

被験物質の存在下で、下記(a)~(c):

- (a) 請求項11記載の細胞
- (b) 請求項15記載のC型肝炎ウイルス感染細胞、並びに
- (c) 請求項13記載のC型肝炎ウイルス粒子及びC型肝炎ウイルス感受性細胞、
- のうちの少なくとも1つを培養し、得られる培養物中のレプリコンRNA又はウイルス粒子 を検出することを含む、抗C型肝炎ウイルス物質をスクリーニングする方法。

【請求項17】

請求項13記載のC型肝炎ウイルス粒子又はその一部分を抗原として使用して、C型肝 炎ワクチンを製造する方法。

【請求項18】

請求項 $1 \sim 5$ のいずれか1項記載のレプリコンRNAを使用して、遺伝子治療のための肝 細胞指向性ウイルスベクターを製造する方法。

【請求項19】

請求項18に記載の方法により製造される、肝細胞指向性ウイルスベクター。

【請求項20】

外来遺伝子をコードするRNAを請求項1~5のいずれか1項記載のレプリコンRNA中に挿 入し、それを細胞中に導入することを含む、該細胞内で外来遺伝子を複製及び/又は発現 させる方法。

【請求項21】

配列番号12に示す塩基配列からなるRNAを細胞に導入することを含む、該RNAを複製し かつウイルス粒子を産生する細胞を製造する方法。

【請求項22】

配列番号12に示す塩基配列からなるRNAを細胞に導入し、その細胞を培養してウイル ス粒子を産生させることを含む、C型肝炎ウイルス粒子の製造方法。

【請求項23】

細胞が増殖性細胞である、請求項21又は22記載の方法。

【請求項24】

配列番号12に示す塩基配列からなるRNAに外来遺伝子をコードするRNAを挿入し、それ を細胞に導入し、その細胞を培養してウイルス粒子を産生させることを含む、外来遺伝子 を含有するウイルスベクターを製造する方法。

【書類名】明細書

【発明の名称】ヒトC型肝炎ウイルスの全長ゲノムを含む核酸構築物及び該核酸構築物を 導入した組換え全長ウイルスゲノム複製細胞、並びにヒトC型肝炎ウイルス粒子の作製方 法

【技術分野】

[0001]

本発明は、C型肝炎ウイルスの全長ゲノムを含む核酸構築物、C型肝炎ウイルス粒子の in vitroでの作製方法、及び作製したC型肝炎ウイルス粒子の使用に関する。

【背景技術】

[0002]

C型肝炎ウイルス (Hepatitis C virus、HCV) は、フラビウイルス科に属する、一本鎖 の(+)鎖センスRNAをゲノムとするウイルスであり、C型肝炎の原因となることが知られて いる。

[0003]

HCVは持続的に感染することにより慢性肝炎を引き起こす。現在、世界的規模で認めら れる慢性肝炎の主たる原因がHCV持続感染である。実際、持続感染者の50%程度が慢性 肝炎を発症し、そのうち約20%の患者が10年~20年を経て肝硬変に移行し、さらに その一部は肝癌といった致死的な病態へと進展する。

[0004]

C型肝炎に対する現在の主な治療は、インターフェロンー α 、インターフェロンー β 、 及びインターフェロンーαとプリンーヌクレオシド誘導体であるリバビリンとの併用療法 により行われている。しかしながら、これらの治療を行っても、全治療者の約60%に治 療効果が認められるだけであり、効果が出た後に治療を中止すると半分以上の患者が再燃 する。

[0005]

工業国において罹患率が高く、最終的に深刻な結果を招き、かつ現在は原因治療法が存 在しないC型肝炎に対する効果的な治療薬又は予防薬の開発は重要な目標である。そのた め、HCV特異的な化学療法、ワクチン療法の発展が切望されている。抗HCV薬開発のターゲ ットとしては、HCVの複製抑制やHCVの細胞感染の抑制が考えられる。

[0006]

最近になって、HCV由来の自律複製能を有するRNAとして、HCVサブゲノムRNAレプリコン システムが作製された(特許文献 1 、 2 及び 3 、非特許文献 1 ~ 4)。HCVサブゲノムRNA レプリコンシステムは、HCVゲノムの構造遺伝子を取り除いて代わりに選択薬剤マーカー 遺伝子を挿入したHCVレプリコンRNAを作製し、そのレプリコンRNAを培養細胞内に導入し 、細胞内でレプリコンRNAを自律的に複製させるシステムである。これにより、培養細胞 を用いてHCVの複製機構を解析することが可能になったが、これはHCVウイルスの増殖複製 過程におけるウイルスRNA複製のみを評価することが可能な実験系であり、HCVウイルス粒 子の感染細胞内での形成と細胞外への放出、さらに新たな細胞への感染という過程は解析 できない。

[0007]

現在、HCVウイルス粒子の形成と細胞外への放出、さらに新たな細胞への感染という過 程を評価する方法としては、チンパンジーなどの動物を用いた実験系しかない(非特許文 献5)。しかしながら、動物という生体をそのまま用いた実験系は、煩雑で解析が極めて 困難である。したがって、HCVウイルス粒子の感染細胞内での形成と細胞外への放出、さ らに新たな細胞への感染という過程を解析および、これらの過程の阻害を作用メカニズム とした抗HCV薬を作製するには、これらの過程を再現できる極めて単純化した実験系、す なわち、培養実験系でのHCVウイルス粒子の作製系を構築する必要がある。

また、細胞培養系を用いて安定してHCVウイルス粒子を供給可能になれば、ウイルスを 弱毒化したり、分子生物学的手法を用いて非感染性のHCVウイルスを作製したりして、そ れをワクチンに用いることができる。

[0009]

【特許文献1】特開2001-17187号公報

【特許文献2】国際出願PCT/JP03/15038

【特許文献3】特願2003-329082

【非特許文献 1】Lohmann et al., Science, (1999) 285, p. 110-113

【非特許文献 2】 Blight et al., Science, (2000) 290, p. 1972-1974

【非特許文献 3】 Friebe et al., J. Virol., (2001) 75(24): p. 12047-12057

【非特許文献4】 Ikeda et al., J. Virol., (2002) 76(6): p. 2997-3006

【非特許文献 5】 Kolykhalov et al., Science, (1997) 277, p. 570-574

【非特許文献 6】 Kato et al., Gastroenterology, (2003) 125, p. 1808-1817

【非特許文献 7】 Yanagi et al., Proc.Natl.Acad.Sci., (1997) 96(16): p.8738-87 43

【特許文献 8】 Okamoto et al., J.Gen.Virol., (1991) 73, p 2697-26704 【非特許文献 9 】 Aoyagi et al., J. Clin. Microbiol., (1999) 37(6): p.1802-180 8

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

[0010]

本発明は、これまで成功していない、HCV全長ゲノム配列を含むRNAを効率良く複製する 方法、及び全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを含有するHCVウイルス粒子を細 胞培養系により製造する方法、を提供することを目的とする。

【課題を解決するための手段】

[0011]

本発明者らは、上記課題を解決すべく鋭意研究を行った結果、HCVウイルス粒子を細胞 培養系で作製する方法を開発した。すなわち、本発明は以下の通りである。

[0012]

[1] 遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスのゲノムRNAの、5'非翻訳領域、coreタンパク質コー ド配列、E1タンパク質コード配列、E2タンパク質コード配列、NS2タンパク質コード配列 、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質コード配列、NS4Bタンパク質コード配列、N S5Aタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コード配列、及び3'非翻訳領域と、少なくと も1つの選択マーカー遺伝子及び/又は少なくとも1つのリポーター遺伝子と、少なくと も1つのIRES配列と、を含む塩基配列からなる、レプリコンRNA。

[0013]

このレプリコンRNAにおいては、好ましくは、前記塩基配列が、前記の5'非翻訳領域、 少なくとも1つの選択マーカー遺伝子及び/又は少なくとも1つのリポーター遺伝子、少 なくとも1つのIRES配列、coreタンパク質コード配列、E1タンパク質コード配列、E2タン パク質コード配列、NS2タンパク質コード配列、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク 質コード配列、NS4Bタンパク質コード配列、NS5Aタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質 コード配列、及び3'非翻訳領域を、5'から3'方向へこの順番で含む。

このレプリコンRNAのより好ましい実施形態では、遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスのゲ ノムRNAが、配列番号12に示す塩基配列からなるRNAである。

[0014]

このレプリコンRNAのさらに好ましい実施形態では、5'非翻訳領域が配列番号1に示す 塩基配列からなり、coreタンパク質コード配列が配列番号2に示す塩基配列からなり、E1 タンパク質コード配列が配列番号3に示す塩基配列からなり、E2タンパク質コード配列が 配列番号4に示す塩基配列からなり、NS2タンパク質コード配列が配列番号5に示す塩基 配列からなり、NS3タンパク質コード配列が配列番号6に示す塩基配列からなり、NS4Aタ ンパク質コード配列が配列番号7に示す塩基配列からなり、NS4Bタンパク質コード配列が 配列番号8に示す塩基配列からなり、NS5Aタンパク質コード配列が配列番号9に示す塩基 配列からなり、NS5Bタンパク質コード配列が配列番号10に示す塩基配列からなり、3'非 翻訳領域が配列番号11に示す塩基配列からなる。

[0015]

- [2] 以下の(a)又は(b)のRNAからなるレプリコンRNA。
- (a) 配列番号13に示す塩基配列からなるRNA。
- (b) 配列番号13に示す塩基配列において1~100個の塩基が欠失、置換又は付加され た塩基配列からなるRNAであって、自律複製能及びウイルス粒子産生能を有するRNA。

[0016]

[3] 上記[1]又は[2]記載のいずれかのレプリコンRNAを細胞に導入することを含む、該レ プリコンRNAを複製しかつウイルス粒子を産生する細胞を製造する方法。

この方法では、細胞が増殖性細胞であることが好ましい。あるいは、この方法における 細胞は、真核細胞であることが好ましい。

この方法では、好ましくは、真核細胞はヒト肝由来細胞、ヒト子宮頸由来細胞、又はヒ ト胎児腎由来細胞である。さらに好ましくは、真核細胞がHuh7細胞、HepG2細胞、IMY-N9 細胞、HeLa細胞、又は293細胞である。

$[0\ 0\ 1\ 7\]$

[4] 上記[3]記載の方法により製造される、レプリコンRNAを複製しかつウイルス粒子を産 生する細胞。

[0018]

[5] 上記[4]記載の細胞を培養してウイルス粒子を産生させることを含む、C型肝炎ウイ ルス粒子の製造方法。

[0019]

[6] 上記[5]記載の方法により製造される、C型肝炎ウイルス粒子。

[0020]

[7] 上記[4]記載の細胞を培養し、培養物中のウイルス粒子を他の細胞に感染させること を含む、C型肝炎ウイルス感染細胞を製造する方法。

[0021]

[8] 上記[7]記載の方法によって製造される、C型肝炎ウイルス感染細胞。

[0022]

- [9] 被験物質の存在下で、下記(a)~(c):
- (a) 上記[4]記載の細胞
- (b) 上記[8]記載のC型肝炎ウイルス感染細胞、並びに
- (c) 上記[6]記載のC型肝炎ウイルス粒子及びC型肝炎ウイルス感受性細胞、
- のうちの少なくとも1つを培養し、得られる培養物中のレプリコンRNA又はウイルス粒子 を検出することを含む、抗C型肝炎ウイルス物質をスクリーニングする方法。

[0023]

[10] 上記[6]記載のC型肝炎ウイルス粒子又はその一部分を抗原として使用して、C型肝 炎ワクチンを製造する方法。

[0024]

[11] 上記[1]又は[2]記載のいずれかのレプリコンRNAを使用して、遺伝子治療のための肝 細胞指向性ウイルスベクターを製造する方法。

[0025]

[12] 上記[11]に記載の方法により製造される、肝細胞指向性ウイルスベクター。

[0026]

[13] 外来遺伝子をコードするRNAを上記[1]又は[2]記載のいずれかのレプリコンRNA中に 挿入し、それを細胞中に導入することを含む、該細胞内で外来遺伝子を複製及び/又は発 現させる方法。

[0027]

[14] 配列番号12に示す塩基配列からなるRNAを細胞に導入することを含む、該RNAを複 製しかつウイルス粒子を産生する細胞を製造する方法。

[0028]

[15] 配列番号 1 2 に示す塩基配列からなるRNAを細胞に導入し、その細胞を培養してウイ ルス粒子を産生させることを含む、C型肝炎ウイルス粒子の製造方法。

[0029]

[16] 細胞が増殖性細胞である、上記[14]又は[15]記載の方法。

[0030]

[17] 配列番号 1 2 に示す塩基配列からなるRNAに外来遺伝子をコードするRNAを挿入し、 それを細胞に導入し、その細胞を培養してウイルス粒子を産生させることを含む、外来遺 伝子を含有するウイルスベクターを製造する方法。

【発明の効果】

[0031]

本発明により、HCV由来のウイルス粒子を、細胞培養系を用いて作製する方法が提供さ れる。本発明の全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを細胞に導入することにより 、他の細胞への感染能をもち、全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを含有するウ イルス粒子をin vitroで産生させることができる。また、本発明のレプリコンRNAを用い れば、細胞培養系においてHCVの全長ゲノムRNAを含有するRNAを効率よく製造することが できる。さらに、本発明の全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNAを導入した細 胞を用いれば、HCVの複製過程、ウイルス粒子形成過程、又はウイルス粒子の細胞外放出 過程に影響を及ぼす各種物質をスクリーニングすることもできる。本発明のウイルス粒子 を他の細胞に感染させる系を用いて、ウイルス粒子の細胞への感染に影響を及ぼす各種物 質をスクリーニングすることもできる。

【発明を実施するための最良の形態】

[0032]

以下、本発明について詳細に説明する。

1.全長HCVレプリコンRNA

C型肝炎ウイルス (HCV) のゲノムは、約9600ヌクレオチドからなる(+)鎖の一本鎖RNA である。このゲノムRNAは、5'非翻訳領域(5'NTR又は5'UTRとも表記する)、構造領域と 非構造領域とから構成される翻訳領域、及び3'非翻訳領域(3'NTR又は3'UTRとも表記する)からなる。その構造領域にはHCVの構造タンパク質がコードされており、非構造領域に は複数の非構造タンパク質がコードされている。

[0033]

このようなHCVの構造タンパク質 (core、E1、及びE2) と非構造タンパク質 (NS2、NS3 、NS4A、NS4B、NS5A、及びNS5B)は、翻訳領域から一続きのポリプロテインとして翻訳さ れた後、プロテアーゼによる限定分解を受けて遊離、生成される。これらの構造タンパク 質及び非構造タンパク質(すなわち、HCVのウイルスタンパク質)のうち、coreはコアタ ンパク質であり、E1及びE2はエンベロープタンパク質である。非構造タンパク質はウイル ス自身の複製に関与するタンパク質であり、NS2はメタロプロテアーゼ活性、NS3はセリン プロテアーゼ活性(N末端側の3分の1)とヘリカーゼ活性(C末端側の3分の2)を有 することが知られている。さらに、NS4AはNS3のプロテアーゼ活性に対するコファクター であり、NS5BはRNA依存RNAポリメラーゼ活性を有することも報告されている。

[0034]

本発明者らは、HCVゲノムRNAを用いて、自律的に複製可能であり、かつウイルス粒子産 生能を有するレプリコンRNAを構築した。

[0035]

本明細書では、自律複製能を有しておりHCVゲノムRNAを改変して作製されたRNAを、「 レプリコンRNA」又は「RNAレプリコン」と称する。本明細書においてHCV由来のレプリコ ンRNAは、HCV-RNAレプリコンとも称する。本明細書では、HCVゲノムRNAの全長を含む本発 明のレプリコンRNAを、「全長HCVレプリコンRNA」と呼ぶ。本発明の全長HCVレプリコンRN Aは、ウイルス粒子産生能を有する。

[0036]

本発明の全長HCVレプリコンRNAの好適な実施形態では、C型肝炎ウイルスは、限定する ものではないが、遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスであることが好ましい。本発明において 、「遺伝子型2aのC型肝炎ウイルス」「遺伝子型2aのHCV」とは、Simmondsら(Simmonds, P. et al, Hepatology, (1994) 10, p. 1321-1324を参照) による国際分類に従って遺伝 子型2aと同定されるC型肝炎ウイルスを意味する。本発明における「遺伝子型2aのC型肝 炎ウイルス」「遺伝子型2aのHCV」には、天然由来のHCVゲノムRNAを有するウイルスだけ でなく、天然由来のHCVゲノム配列に人為的な改変を加えたゲノムRNAを有するウイルスも 包含する。遺伝子型2aのHCVの具体例としては、JFH-1株(特開2002-171978号 公報を参照)が挙げられる。

[0037]

本明細書において「C型肝炎ウイルスのゲノムRNA」とは、C型肝炎ウイルスの一本鎖 の(+)鎖センスRNAからなるゲノムの全長にわたる塩基配列を有するRNAを意味する。限定 するものではないが、遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスのゲノムRNAとしては、配列番号1 2に示す塩基配列からなるRNAが好ましい。

[0038]

本発明に係る全長HCVレプリコンRNAの一つの実施形態は、C型肝炎ウイルスのゲノムRN A上の、5'非翻訳領域、coreタンパク質コード配列、E1タンパク質コード配列、E2タンパ ク質コード配列、NS2タンパク質コード配列、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質 コード配列、NS4Bタンパク質コード配列、NS5Aタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コ ード配列、及び3'非翻訳領域と、少なくとも1つの選択マーカー遺伝子又はリポーター遺 伝子と、少なくとも1つのIRES配列と、を含む塩基配列からなる、レプリコンRNAである

[0039]

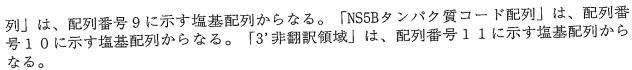
限定するものではないが、好ましくは、本発明の全長HCVレプリコンRNAは、5'非翻訳領 域、少なくとも1つの選択マーカー遺伝子又はリポーター遺伝子、少なくとも1つのIRES 配列、coreタンパク質コード配列、E1タンパク質コード配列、E2タンパク質コード配列、 NS2タンパク質コード配列、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質コード配列、NS4B タンパク質コード配列、NS5Aタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コード配列、及び3' 非翻訳領域を、5'から3'方向へこの順番で含む。

[0040]

本明細書において、「5'非翻訳領域(5'NTR又は5'UTR)」、「coreタンパク質コード配 列(core領域又はC領域)」、「E1タンパク質コード配列(E1領域)」、「E2タンパク質 コード配列(E2領域)」、「N2タンパク質コード配列(NS2領域)」、「NS3タンパク質コ ード配列(NS3領域)」、「NS4Aタンパク質コード配列(NS4A領域)」、「NS4Bタンパク 質コード配列(NS4B領域)」、「NS5Aタンパク質コード配列(NS5A領域)」、「NS5Bタン パク質コード配列(NS5B領域)」、及び「3'非翻訳領域(3'NTR又は3'UTR)」、並びにそ の他の特定の領域若しくは部位は、遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスであるJFH-1株(特開 2002-171978号公報)のゲノムの全領域からなる全長ゲノムRNA(配列番号1 2) を基準として定めることができる。

[0041]

あるいは、本願発明におけるC型肝炎ウイルス(HCV)ゲノム中の部分領域又はその部 位は、JFH-1株のゲノムRNA(配列番号12)の部分塩基配列である配列番号1~11に示 す配列を基準として定めることもできる。JFH-1株の全長ゲノムRNA(JFH-1クローン由来)(配列番号12)の「5'非翻訳領域」は、配列番号1に示す塩基配列からなる。また、 「coreタンパク質コード配列」は配列番号 2 に示す塩基配列からなる。「E1タンパク質コ ード配列」は、配列番号3に示す塩基配列からなる。「E2タンパク質コード配列」は、配 列番号4に示す塩基配列からなる。「NS2タンパク質コード配列」は、配列番号5に示す 塩基配列からなる。「NS3タンパク質コード配列」は、配列番号6に示す塩基配列からな る。「NS4Aタンパク質コード配列」は、配列番号7に示す塩基配列からなる。「NS4Bタン パク質コード配列」は、配列番号8に示す塩基配列からなる。「NS5Aタンパク質コード配



[0042]

例えば、HCV由来のRNA配列中の領域又は部位は、そのRNA配列を配列番号1~12に示 す塩基配列に対してアラインメントし、配列番号1~12の配列中の塩基番号を基準とし て定めてもよい。このようなアラインメントにおいては、配列間でギャップ、付加、欠失 、置換等が存在していてもよい。

[0043]

本発明のさらなる好適な実施形態では、本発明の全長HCVレプリコンRNAに含まれる5'非 翻訳領域、coreタンパク質コード配列、E1タンパク質コード配列、E2タンパク質コード配 列、NS2タンパク質コード配列、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質コード配列、 NS4Bタンパク質コード配列、NS5Aタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コード配列、及 び3'非翻訳領域が、それぞれ配列番号 $1\sim1$ 1に示す塩基配列を有することが好ましい。

[0044]

本発明に係る全長HCVレプリコンRNAの好適な実施形態は、配列番号1~11に示す塩基 配列と、少なくとも1つの選択マーカー遺伝子及び/又はリポーター遺伝子と、少なくと も1つのIRES配列と、からなるレプリコンRNAである。

[0045]

本発明において「選択マーカー遺伝子」とは、その遺伝子が発現された細胞だけが選択 されるような選択性を細胞に付与することができる遺伝子を意味する。選択マーカー遺伝 子の一般的な例としては抗生物質耐性遺伝子が挙げられる。本発明において好適な選択マ ーカー遺伝子の例としては、ネオマイシン耐性遺伝子、チミジンキナーゼ遺伝子、カナマ イシン耐性遺伝子、ピリチアミン耐性遺伝子、アデニリルトランスフェラーゼ遺伝子、ゼ オシン耐性遺伝子、ピューロマイシン耐性遺伝子などが挙げられるが、ネオマイシン耐性 遺伝子、チミジンキナーゼ遺伝子が好ましく、ネオマイシン耐性遺伝子がさらに好ましい 。但し本発明における選択マーカー遺伝子はこれらに限定されるものではない。

[0046]

また本発明において「リポーター遺伝子」とは、その遺伝子発現の指標となる遺伝子産 物をコードするマーカー遺伝子を意味する。リポーター遺伝子の一般的な例としては、発 光反応や呈色反応を触媒する酵素の構造遺伝子が挙げられる。本発明において好適なリポ ーター遺伝子の例としては、トランスポゾンTn9由来のクロラムフェニコールアセチルト ランスフェラーゼ遺伝子、大腸菌由来の β グルクロニダーゼ若しくは β ガラクトシダーゼ 遺伝子、ルシフェラーゼ遺伝子、緑色蛍光タンパク質遺伝子、クラゲ由来のエクオリン遺 伝子、分泌型胎盤アルカリフォスファターゼ (SEAP) 遺伝子等が挙げられる。但し本発明 におけるリポーター遺伝子はこれらに限定されるものではない。

[0047]

上記の選択マーカー遺伝子やリポーター遺伝子は、全長HCVレプリコンRNA中にどちらか 一方のみが含まれていてもよいし、両方が含まれていてもよい。選択マーカー遺伝子又は リポーター遺伝子は、全長HCVレプリコンRNAに1つ含まれていてもよいし、2つ以上含ま れていてもよい。

[0048]

本発明における「IRES配列」とは、RNAの内部にリボソームを結合させて翻訳を開始さ せることが可能な内部リボゾーム結合部位を意味する。本発明におけるIRES配列の好適な 例としては、以下に限定するものではないがEMCV IRES(脳心筋炎ウイルスの内部リボゾ ーム結合部位)、FMDV IRES、HCV IRES、等が挙げられるが、EMCV IRES、及びHCV IRESが より好ましく、EMCV IRESが最も好ましい。

[0049]

本発明に係る全長HCVレプリコンRNAのさらに好ましい1つの実施形態は、配列番号13 に示す塩基配列からなるRNAである。さらに、この配列番号13に示す塩基配列において

、 $1\sim100$ 個、好ましくは $1\sim30$ 個、より好ましくは $1\sim10$ 個、さらに好ましくは $1\sim6$ 個、最も好ましくは $1\sim$ 数個($2\sim5$ 個)の塩基が欠失、置換又は付加された塩基配列からなるRNAであって、かつ、自律複製能及びウイルス粒子産生能を有するRNAも、好適な実施形態として本発明の全長HCVレプリコンRNAの範囲に含まれる。

[0050]

本発明に係る全長HCVレプリコンRNAは、その全長HCVレプリコンRNAを導入する細胞内で発現させたい任意の外来遺伝子をコードするRNAをさらに含んでもよい。外来遺伝子をコードするRNAをさらに含んでもよい。外来遺伝子をコードするRNAは、5'非翻訳領域の下流に連結してもよいし、選択マーカー遺伝子若しくはリポーター遺伝子の上流又は下流に連結させてもよいし、3'非翻訳領域の上流に連結してもよい。また、coreタンパク質コード配列、E1タンパク質コード配列、E2タンパク質コード配列、NS2タンパク質コード配列、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質コード配列、NS5Aタンパク質コード配列、及びNS5Bタンパク質コード配列のいずれかの間に挿入してもよい。

[0051]

外来遺伝子をコードするRNAを含む全長HCVレプリコンRNAは、導入された細胞内で翻訳される際に、該外来遺伝子にコードされる遺伝子産物を発現することができる。従って外来遺伝子をコードするRNAを含む全長HCVレプリコンRNAは、外来遺伝子の遺伝子産物を細胞内で生成させることを目的とする場合にも、好適に使用することができる。

[0052]

本発明に係る全長HCVレプリコンRNAは、リボザイムを含んでいてもよい。全長HCVレプリコンRNA中の選択マーカー遺伝子及び/又はリポーター遺伝子の下流にリボザイムを連結しておき、そのリボザイムの自己切断活性によって、選択マーカー遺伝子及び/又はリポーター遺伝子が、IRES配列、coreタンパク質コード配列、E1タンパク質コード配列、NS2タンパク質コード配列、NS3タンパク質コード配列、NS4Aタンパク質コード配列、NS4Bタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コード配列、NS5Bタンパク質コード配列、及び3'非翻訳領域から切り離されるようにすることもできる。

[0053]

本発明に係る全長HCVレプリコンRNAにおいては、上述したような選択マーカー遺伝子及び/若しくはリポーター遺伝子、ウイルスタンパク質をコードする配列、並びに外来遺伝子又はリボザイム等が、全長HCVレプリコンRNAから正しい読み枠で翻訳されるように連結される。全長HCVレプリコンRNAにコードされるタンパク質は、一続きのポリペプチドとして翻訳され発現された後でプロテアーゼによって各タンパク質へと切断され、遊離するように、プロテアーゼ切断部位等を介して互いに連結させることが好ましい。

[0054]

なお、本発明においてRNAが「自律複製能を有する」とは、RNAを細胞中に導入したときに、そのRNAが自己増殖することを意味する。限定するものではないが、RNAの自律複製能は、例えば、対象とするRNAをHuh7細胞中にトランスフェクションし、そのHuh7細胞を培養し、得られる培養物中の細胞から抽出したRNAについて、導入したRNAを特異的に検出可能なプローブを用いたノーザンブロットハイブリダイゼーションによりRNAを検出することによって、確認することができる。自律複製能を確認するための具体的な操作は、本明細書の実施例に記載されたコロニー形成能の測定、HCVタンパク質の発現確認、レプリコンRNAの検出等の記載に例示されている。

[0055]

さらに本発明において、RNAが「ウイルス粒子産生能を有する」とは、そのRNAを細胞(例えば、Huh7細胞などの培養細胞)に導入したときに、該細胞中でウイルス粒子が産生されることを意味する。ウイルス粒子産生能は、例えば、対象とするRNAを導入した細胞の培養上清について、そのRNAに特異的なプライマーを用いたRT-PCR法での検出を行う方法、又はその培養上清をショ糖濃度勾配法にかけてウイルス粒子を分離し、HCVタンパク質を検出する方法などにより、確認することができる。これらの具体的な操作は、本明細書の実施例に記載されたコロニー形成能の測定、HCVタンパク質の発現確認、レプリコンRNA

の検出等の記載に例示されている。

[0056]

2. 全長HCVレプリコンRNAの作製

本発明に係る全長HCVレプリコンRNAは、当業者に公知である任意の遺伝子工学的手法を 用いて作製することができる。限定するものではないが、全長HCVレプリコンRNAは、例え ば遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスとしてJFH-1株を用いる場合には以下のような方法で作 製することができる。

[0057]

まず、JFH-1株のゲノム全領域のRNA(配列番号12)に対応するDNA(この配列は、国 際DNAデータバンクにアクセッション番号ABO47639として登録されている)を、常法によ り再構築してRNAプロモーターの下流に挿入して、DNAクローンを作製する。ここで、「RN Aに対応するDNA」とは、当該RNAの塩基配列のU(ウラシル)をT(チミン)に置き換えた 塩基配列からなるDNAを意味する。前記RNAプロモーターは、プラスミドクローン中に含ま れるものであることが好ましい。好適なRNAプロモーターとしては、限定するものではな いが、T7 RNAプロモーター、SP6 RNAプロモーター、SP3 RNAプロモーターが挙げられるが 、T7 RNAプロモーターが特に好ましい。

[0058]

次に、選択マーカー遺伝子及び/又はレポーター遺伝子、並びにIRES配列をコードする DNAを上記DNAクローンに挿入する。5'非翻訳領域の下流に、選択マーカー遺伝子及び/又 はレポーター遺伝子を、さらにその下流にIRES配列を、挿入することが好ましい。

[0059]

次いで、以上のようにして作製されたDNAクローンを鋳型として、RNAポリメラーゼによ りRNAを合成する。RNA合成は、5'非翻訳領域から、常法により開始させることができる。 DNAクローンがプラスミドクローンの場合には、プラスミドクローンから制限酵素によっ て切り出したDNA断片を鋳型として用いてRNAを合成することもできる。なお、合成される RNAの3'末端がウイルスゲノムRNAの3'非翻訳領域の末端と一致しており、他の配列が付加 されたり削除されたりしないことが好ましい。このようにして合成されるRNAが、本発明 に係る全長HCVレプリコンRNAである。

[0060]

3. HCV粒子の作製

上記のようにして作製される全長HCVレプリコンRNAを細胞に導入することにより、全長 HCVレプリコンRNAを複製することができ、好ましくは持続的に複製することができる(す なわち、レプリコンRNAの複製能を有する)組換え細胞を得ることができる。本明細書で は、全長HCVレプリコンRNAを複製している組換え細胞を「全長HCVレプリコンRNA複製細胞 丨と称する。

[0061]

この全長HCVレプリコンRNA複製細胞は、ウイルス粒子を産生することができる。産生さ れたウイルス粒子は、HCVのウイルスタンパク質から構成されるウイルス殻中に全長HCVレ プリコンRNAを含有する。従って本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞から産生される ウイルス粒子は、HCV粒子である。すなわち本発明では、全長HCVレプリコンRNA複製細胞 を培養することにより、HCV粒子を細胞培養系にて作製することができる。好ましくは、 全長HCVレプリコンRNA複製細胞を培養し、その培養物(好ましくは培養上清)中に産生さ れたウイルス粒子を採取することにより、HCV粒子を取得することができる。

[0062]

あるいは、HCV粒子は、全長HCVゲノムRNAを導入して得られる組換え細胞によっても産 生される。本発明に係る全長HCVゲノムRNA(好ましくはJFH-1クローン由来の全長HCVゲノ ムRNA、より好ましくは配列番号12に示す塩基配列を有するRNA)を導入した細胞では、 その全長HCVゲノムRNAが高効率で複製される。本明細書では、全長HCVゲノムRNAを複製し ている組換え細胞を「全長HCVゲノムRNA複製細胞」と称する。この全長HCVゲノムRNA複製 細胞によって産生されるウイルス粒子は、HCVのウイルスタンパク質から構成されるウイ

ルス殻中に全長HCVゲノムRNAを含有する。すなわち、本発明の全長HCVゲノムRNAを導入し た細胞から産生されるウイルス粒子は、HCV粒子である。限定するものではないが、好ま しくは、JFH-1クローン由来の全長HCVゲノムRNA(例えば、配列番号12に示す塩基配列 を有するRNA)を導入した細胞を培養することによって、HCV粒子を細胞培養系にて作製す ることができる。例えば、全長HCVゲノムRNA(例えば、配列番号12に示す塩基配列を有 するRNA) を導入した細胞を培養し、その培養物(好ましくは、培養上清)中に産生され たHCV粒子を採取することにより、HCV粒子を取得することができる。

[0063]

上記の全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを導入する細胞としては、継代培養 することが可能な細胞であれば任意の細胞を用いることができるが、真核細胞であること が好ましく、ヒト細胞であることがより好ましく、ヒト肝由来細胞、ヒト子宮頸由来細胞 、又はヒト胎児腎由来細胞であることがさらに好ましい。これらの細胞としては、癌細胞 株や幹細胞株などを含む増殖性細胞が好ましく、Huh7細胞、HepG2細胞、IMY-N9細胞、HeL a細胞、又は293細胞等がさらに好ましい。これらの細胞は、市販のものを利用してもよい し、細胞寄託機関から入手して使用してもよいし、任意の細胞(例えば癌細胞又は幹細胞)から株化した細胞を使用してもよい。

[0064]

全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAの細胞内への導入は、当業者には公知の任 意の技術を使用して行うことができる。そのような導入法としては、例えば、エレクトロ ポレーション、パーティクルガン法、リポフェクション法、リン酸カルシウム法、マイク ロインジェクション法、DEAEセファロース法等が挙げられるが、エレクトロポレーション による方法が特に好ましい。

[0065]

全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAは、単独で導入してもよいし、他の核酸と 混合させたものを導入してもよい。導入するRNA量を一定にしながら全長HCVレプリコンRN A又は全長HCVゲノムRNAの導入量を変更したい場合には、所望の導入量の全長HCVレプリコ ンRNA又は全長HCVゲノムRNAを、導入する細胞から抽出したトータル細胞性RNAと混合して 一定のRNA総量とし、それを細胞内導入に用いればよい。細胞内導入に用いるレプリコンR NAの量は、使用する導入法に応じて決めればよいが、好ましくは1ピコグラム~100マ イクログラム、より好ましくは10ピコグラム~10マイクログラムの量を使用する。

[0066]

全長HCVレプリコンRNA複製細胞は、全長HCVレプリコンRNAに含まれる選択マーカー遺伝 子又はリポーター遺伝子の発現を利用して、選択することができる。具体的には、例えば 、そのような全長HCVレプリコンRNAの細胞内導入処理を施した細胞を、選択マーカー遺伝 子の発現により選択可能となる培地において培養すればよい。あるいは、そのような全長 HCVレプリコンRNAの細胞内導入処理を施した細胞を培養した後、リポーター遺伝子(例え ば、蛍光タンパク質)の発現について検出すればよい。

[0067]

一例として、全長HCVレプリコンRNAにネオマイシン耐性遺伝子が選択マーカー遺伝子と して含まれる場合には、その全長HCVレプリコンRNAを用いてエレクトロポレーション処理 した細胞を培養ディッシュに播種し、12~72時間、好ましくは16~48時間培養し た後に、培養ディッシュにG418 (ネオマイシン) を0.05ミリグラム/ミリリットル~3.0ミ リグラム/ミリリットルの濃度で添加し、その後、週に2回培養液を交換しながら培養を 継続し、播種時から好ましくは10日間~40日間、より好ましくは14日間~28日間 培養した後にクリスタルバイオレットで生存細胞を染色することにより、導入された全長 HCVレプリコンRNAが複製されている細胞を、コロニーとして選択することができる。

[0068]

形成されたコロニーからは、常法により細胞をクローン化することができる。こうして 得られる全長HCVレプリコンRNAを複製している細胞クローンを、本明細書では「全長HCV レプリコンRNA複製細胞クローン」と称する。本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞は

、全長HCVレプリコンRNA複製細胞クローンを包含する。

全長HCVレプリコンRNA複製細胞については、複製された全長HCVレプリコンRNAを検出し 、全長HCVレプリコンRNA中の選択マーカー遺伝子又はリポーター遺伝子が細胞の宿主ゲノ ムDNAに組み込まれていないことを確認し、さらにHCVタンパク質の検出を行うことにより 、実際に該細胞又は細胞クローンが全長HCVレプリコンRNAを複製していることを確認する ことができる。

[0070]

複製された全長HCVレプリコンRNAの検出は、当業者には公知の任意のRNA検出法に従っ て行えばよいが、例えば、細胞から抽出したトータルRNAについて、導入された全長HCVレ プリコンRNAに対して特異的なDNA断片をプローブとして用いるノーザンハイブリダイゼー ション法を実施することにより検出することができる。

[0071]

また全長HCVレプリコンRNA中の選択マーカー遺伝子又はリポーター遺伝子が細胞の宿主 ゲノムDNAに組み込まれていないことの確認は、限定するものではないが、例えば、細胞 から抽出したゲノムDNAについて該選択マーカー遺伝子又はリポーター遺伝子の少なくと も一部を増幅するPCRを行い、その増幅産物の有無を確認することによって行うことがで きる。増幅産物が確認された細胞では、宿主ゲノム中に選択マーカー遺伝子又はリポータ ー遺伝子が組み込まれていると判断されることから、全長HCVレプリコンRNA自体は複製さ れていない可能性がある。この場合、全長HCVレプリコンRNAが複製されているか否かを、 次に説明するHCVタンパク質の検出によって、さらに確認することができる。

[0072]

HCVタンパク質の検出は、例えば、導入された全長HCVレプリコンRNAから発現されるべ きHCVタンパク質に対する抗体を、細胞から抽出したタンパク質と反応させることによっ て行うことができる。この方法は、当業者には公知の任意のタンパク質検出法によって行 うことができるが、具体的には、例えば、細胞から抽出したタンパク質試料をニトロセル ロース膜にブロッティングし、それに対して抗HCVタンパク質抗体(例えば、抗NS3特異的 抗体、又はC型肝炎患者から採取した抗血清)を反応させ、さらにその抗HCVタンパク質 抗体を検出することによって行うことができる。細胞から抽出したタンパク質中からHCV タンパク質が検出されれば、その細胞は、全長HCVレプリコンRNAを複製し、HCVタンパク 質を発現しているものと判断することができる。

[0073]

本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞のウイルス粒子 産生能は、当業者には公知の任意のウイルス検出法に従って確認すればよい。例えば、ウ イルス粒子を産生していると思われる細胞の培養上清をショ糖密度勾配により分画し、各 分画の密度、HCVコアタンパク質濃度、及び全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノム RNAの量を測定した結果、HCVコアタンパク質と全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲ ノムRNAのピークが一致し、しかもそのピークが検出される画分の密度が、培養上清を25 % NP40 (ポリオキシエチレン(9)オクチルフェニルエーテル[Polyoxyethylene(9)Octylph enyl Ether]) で処理してから分画した場合の同画分の密度と比較して軽い(例えば、1.1 8~1.20 mg) 場合には、該細胞はウイルス粒子産生能を有すると判定することができる。

[0074]

培養上清中に放出されたHCVウイルス粒子は、例えば、coreタンパク質、E1タンパク質 、又はE2タンパク質に対する抗体を用いて検出することもできる。また、培養上清中の全 長HCVレプリコンRNAを、特異的プライマーを用いたRT-PCR法により増幅して検出すること によって、HCVウイルス粒子の存在を間接的に検出することもできる。

[0075]

4. 本発明のHCV粒子の他の細胞への感染

本発明のHCVウイルス粒子は、細胞(好ましくはHCV感受性細胞)への感染能を有する。 本発明は、全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞を培養し、得ら れた培養物(好ましくは、培養上清)中のウイルス粒子を他の細胞(好ましくはHCV感受 性細胞)に感染させることを含む、C型肝炎ウイルス感染細胞を製造する方法にも関する 。本発明において、HCV感受性細胞とは、HCVに対し感染性を有する細胞であり、好ましく は肝臓細胞またはリンパ球系細胞であるが、これらに限定されるものでは無い。具体的に は、肝臓細胞としては初代肝臓細胞や、Huh7細胞、HepG2細胞、IMY-N9細胞、HeLa細胞、2 03細胞などが挙げられ、リンパ球系細胞としてはMolt4細胞や、HPB-Ma細胞、Daudi細胞な どが挙げられるが、これらに限定されるものでは無い。

本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞において産生されたHCV粒子を細胞(例えば、H CV感受性細胞)に感染させると、その感染細胞中では全長HCVレプリコンRNAが複製され、 さらにウイルス粒子が形成される。全長HCVレプリコンRNA複製細胞において産生されたウ イルス粒子に感染した細胞は、選択マーカー遺伝子及び/又はリポーター遺伝子を発現す るので、その発現を利用して選択及び/又は検出することが可能である。本発明の全長HC VレプリコンRNA複製細胞において産生されたウイルス粒子を細胞に感染させることにより 、全長HCVレプリコンRNAが細胞内で複製され、ウイルス粒子をさらに製造することができ る。

[0077]

さらに、本発明の全長HCVゲノムRNA複製細胞において産生されたHCV粒子を細胞(例え ば、HCV感受性細胞)に感染させることにより、その感染細胞中で全長HCVゲノムRNAが複 製され、ウイルス粒子が形成される。本発明の全長HCVゲノムRNA複製細胞において産生さ れたウイルス粒子を細胞に感染させることにより、全長HCVゲノムRNAが細胞内で複製され 、ウイルス粒子をさらに製造することができる。

[0078]

本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞において産生さ れたHCVウイルス粒子は、チンパンジーなどのHCVウイルスに感染しうる動物に感染して、 HCV由来の肝炎を引き起こすことができる。

[0079]

5. 本発明の他の実施形態

本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞では、全長HCVレプリコンRNAが高効率で複製さ れる。また本発明の全長HCVゲノムRNA複製細胞でも、全長HCVゲノムRNAが高効率で複製さ れる。従って、本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞を 用いて、全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを高効率で製造することができる。

[0080]

本発明では、全長HCVレプリコンRNA複製細胞を培養し、培養物(培養細胞及び/又は培 養培地)からRNAを抽出し、それを電気泳動法にかけ、分離された全長HCVレプリコンRNA を単離精製することによって、全長HCVレプリコンRNAを製造することができる。全長HCV ゲノムRNA複製細胞を用いた場合にも、同様の方法で全長HCVゲノムRNAを製造することが できる。このようにして製造されるRNAは、C型肝炎ウイルスの全長ゲノム配列を含む。 この場合、C型肝炎ウイルスの全長ゲノム配列は、選択マーカー遺伝子及び/又はリポー ター遺伝子並びにIRES配列によって分断されていてもよい。C型肝炎ウイルスの全長ゲノ ム配列を含むRNAの製造方法が提供されることにより、C型肝炎ウイルスゲノムに関して より詳細な分析が可能となる。

[0081]

さらに本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞は、HCV タンパク質を製造するために好適に使用することができる。HCVタンパク質の製造は、当 業者に周知の任意の方法によって行えばよいが、例えば、全長HCVレプリコンRNA又は全長 HCVゲノムRNAを細胞に導入して組換え細胞を作製し、該組換え細胞を培養し、得られる培 養物(培養細胞及び/又は培養培地)から常法によりタンパク質を回収することによって 行えばよい。

[0082]

また本発明のHCVウイルス粒子は、肝細胞指向性を有しうる。そのため本発明の全長HCVレプリコンRNAを使用して、肝細胞指向性ウイルスベクターを製造することができる。このウイルスベクターは、遺伝子治療用に好適に用いられる。本発明では、外来遺伝子をコードするRNAを全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAに組み込み、そのRNAを細胞に導入することにより、該外来遺伝子を細胞中に導入し、細胞内で複製させ、さらに発現させることができる。さらに、全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNA中のE1タンパク質コード配列、及び/又はE2タンパク質コード配列を、他の生物種由来のウイルスの外殻タンパク質に変換したRNAを作製することにより、そのRNAを様々な生物種の細胞に感染させることも可能となる。この場合にも、全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAにさらに外来遺伝子を組み込んで、それを、該外来遺伝子を肝細胞で発現させるための肝細胞指向性ウイルスベクターとして使用することができる。

[0083]

本発明は、配列番号12に示す塩基配列からなるRNAに外来遺伝子をコードするRNAを挿入し、それを細胞に導入し、その細胞を培養してウイルス粒子を産生させることを含む、外来遺伝子を含有するウイルスベクターを製造する方法にも関する。

[0084]

本発明は、本発明に係るHCV粒子又はその一部分を抗原として用いて、C型肝炎ワクチンを製造する方法も提供する。

[0085]

本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞、又はそれらの細胞において産生されるウイルス粒子を感染させたC型肝炎ウイルス感染細胞は、例えばC型肝炎ウイルスの複製、ウイルス粒子の再構築、ウイルス粒子の放出を促進又は抑制する物質(抗C型肝炎ウイルス物質)をスクリーニングするための試験系として使用することもできる。具体的には、例えば、被験物質の存在下でそれらの細胞を培養し、得られる培養物中の全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNA又はウイルス粒子を検出し、その被験物質がレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNAの複製又はウイルス粒子の形成若しくは放出を促進又は抑制するかどうかを判定することにより、C型肝炎ウイルスの増殖を促進又は抑制する物質をスクリーニングすることができる。この場合、培養物中の全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNAの検出は、上記細胞から抽出したRNA中の全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNAの検出は、上記細胞から抽出したRNA中の全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNAの横出は、上記細胞から抽出したRNA中の全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNAの量、割合若しくは有無を測定することによるものであってよい。培養物(主として培養上清)中のウイルス粒子の検出は、培養上清中に含まれるHCVタンパク質の量、割合若しくは有無を検出するものであってよい。

[0086]

本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞において産生されたHCV粒子とHCV感受性細胞とを、HCVの細胞への結合を促進又は抑制する物質をスクリーニングするための試験系として使用することもできる。具体的には例えば、被験物質の存在下で、本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞において産生されたHCV粒子とともにHCV感受性細胞を培養し、得られる培養物中の全長HCVレプリコンRNA又はウイルス粒子を検出し、その被験物質がレプリコンRNAの複製又はウイルス粒子の形成を促進又は抑制するかどうかを判定することにより、C型肝炎ウイルスの増殖を促進又は抑制する物質をスクリーニングすることができる。

[0087]

このような全長HCVレプリコンRNA若しくは全長HCVゲノムRNA又はウイルス粒子の検出は、上述の手法又は後述の実施例に従って行うことができる。上記試験系は、C型肝炎ウイルス感染の予防剤、治療剤若しくは診断剤の製造又は評価のためにも使用することができる。

[0088]

具体的には、本発明の上記試験系の利用例としては以下が挙げられる。

(1)HCVの増殖及び感染を抑制する物質の探索

HCVの増殖及び感染を抑制する物質としては、例えば、直接的若しくは間接的にHCVの増

殖及び感染に影響を及ぼす有機化合物、あるいはHCVゲノム若しくはその相補鎖の標的配 列にハイブリダイズすることによりHCVの増殖若しくはHCVタンパク質の翻訳に直接的又は 間接的に影響を及ぼすアンチセンスオリゴヌクレオチド等が挙げられる。

(2) 細胞培養中で抗ウイルス作用を有する各種物質の評価

前記各種物質としては、合理的ドラッグデザイン又はハイスループットスクリーニング を用いて得られた物質(例えば単離精製された酵素)等が挙げられる。

(3)HCVに感染した患者の治療のための、新規攻撃標的の同定

例えばHCVウイルス増殖のために重要な役割を果たす宿主細胞性タンパク質を同定する ために、本発明に係る全長HCVレプリコンRNA複製細胞又は全長HCVゲノムRNA複製細胞を使 用することができる。

- (4) HCVウイルスの薬剤等に対する耐性獲得能の評価及び該耐性に関わる変異の同定
- (5) C型肝炎ウイルス感染の診断薬又は治療薬の開発、製造及び評価のために使用可能な 抗原としてのウイルスタンパク質の製造
- (6) C型肝炎ウイルス感染のワクチンの開発、製造及び評価のために使用可能な抗原とし てのウイルスタンパク質及び弱毒化HCVの製造

【実施例】

[0089]

本発明を、以下の実施例及び図面に基づいてさらに具体的に説明する。但し、本発明の 技術的範囲はこれら実施例に限定されるものではない。

[0090]

[実施例1] 全長HCVゲノムRNA由来の全長HCVレプリコンRNAの作製

(A) 発現ベクターの構築

劇症肝炎の患者から分離したC型肝炎ウイルスであるJFH-1株(遺伝子型2a)のゲノム 全長cDNAを含むDNA(JFH-1クローン)を、pUC19プラスミド中でT7 RNAプロモーター配列 の下流に挿入したプラスミドDNAを作製した。

[0091]

具体的には、JFH-1株のウイルスRNAを増幅したRT-PCR断片をpGEM-T EASY vector(Prom ega) にクローニングしてpGEM1-258、pGEM44-486、pGEM317-849、pGEM617-1323、pGEM1141 -2367、pGEM2285-3509、pGEM3471-4665、pGEM4547-5970、pGEM5883-7003、pGEM6950-8035 、pGEM7984-8892、pGEM8680-9283、pGEM9231-9634及びpGEM9594-9678の各プラスミドDNA を得た(非特許文献6を参照)。各プラスミドに含まれるウイルスゲノムRNA由来のcDNAを PCR法および制限酵素を用いてつなぎ合わせて、全長のウイルスゲノムcDNAをクローニン グした。全長のウイルスゲノムの上流にT7R RNAプロモーター配列を挿入した。このよう にして構築されたプラスミドDNAを、以下、pJFH1と称する(図1上段)。なお、上記JFH-1クローンの作製については、特許文献1及び非特許文献3に記載されている。またJFH-1 クローンの全長cDNAの塩基配列は、国際DNAデータバンク (DDBJ/EMBL/GenBank) のアクセ ッション番号:AB047639に登録されている。

[0092]

次に、プラスミドDNAであるpJFH1の5'非翻訳領域とcore領域の間に、EMCV-IRES(脳心 筋炎ウイルスの内部リボゾーム結合部位)及びネオマイシン耐性遺伝子(neo;ネオマイ シンホスホトランスフェラーゼ遺伝子とも称する)を挿入して、プラスミドDNAであるpFG REP-JFH1を構築した(図1の下段)。この構築手順は、既報(非特許文献4)に従った。 また、pJFH1及びpFGREP-JFH1中のNS5B領域について、該領域にコードされるRNAポリメラ ーゼの活性中心に相当するアミノ酸モチーフGDDをGNDに変異させる突然変異を導入して、 突然変異プラスミドクローンpJFH1/GND、及びpFGREP-JFH1/GNDも作製した。突然変異クロ ーンpJFH1/GND及びpFGREP-JFH1/GNDは、それにコードされるNS5Bタンパク質の活性部位の アミノ酸配列が変異しているため、レプリコンRNAを複製するのに必要な活性NS5Bタンパ ク質を発現することができない。

[0093]

(B) 全長HCVゲノムRNAと全長HCVレプリコンRNAの作製

全長HCVゲノムRNA合成及び全長HCVレプリコンRNA合成に用いる鋳型DNAを作製するため に、上記のとおり構築した発現ベクターpJFH1、pJFH1/GND、pFGREP-JFH1、pFGREP-JFH1/G NDを、それぞれ制限酵素XbaIで切断した。次いで、これらのXbaI切断断片のそれぞれにつ いて、10~20μgを50μlの反応液中に含有させ、Mung Bean Nuclease 20 Uを用いて30℃ で30分間インキュベートすることにより、さらに処理した。Mung Bean Nucleaseは、二本 鎖DNA中の一本鎖部分を選択的に分解する反応を触媒する酵素である。通常、上記XbaI切 断断片をそのまま鋳型として用いてRNA合成を行うと、XbaIの認識配列の一部であるCUGA の4塩基が3'末端に余分に付加されたレプリコンRNAが合成されてしまう。そこで本実施 例では、XbaI切断断片をMung Bean Nucleaseで処理することにより、XbaI切断断片からCU GAの4塩基を除去した。この後、XbaI切断断片を含むMung Bean Nuclease処理後の溶液に ついて、通常法に従ったタンパク質除去処理により、CUGAの4塩基が除去されたXbaI切断 断片を精製して、これを鋳型DNAとした。

[0094]

次に、この鋳型DNAから、T7 RNAポリメラーゼを用いてRNAをin vitro合成した。このRN A合成にはAmbion社のMEGAscriptを用いた。鋳型DNAを0.5~1.0マイクログラム含む反応液 20μ1を製造業者の使用説明書に従って反応させた。

[0095]

RNA合成終了後、反応溶液にDNase(2U)を添加して37℃で15分間反応させた後、さら に酸性フェノールによるRNA抽出を行って、鋳型DNAを除去した。このようにしてpJFH1、p JFH1/GND、pFGREP-JFH1、pFGREP-JFH1/GNDに由来する上述の鋳型DNAから合成したRNAを、 それぞれrJFH1、rJFH1/GND、rFGREP-JFH1、rFGREP-JFH1/GNDと命名した。これらのRNAの 塩基配列を、rJFH-1、rFGREP-JFH1については配列番号12及び13、rJFH1/GND、rFGREP -JFH1/GNDについては配列番号14及び15にそれぞれ示す。rJFH1は、JFH-1株の全長HCV ゲノムと同じ配列構造をもつ、本発明の全長HCVゲノムRNAの一例である。rFGREP-JFH1は 、本発明における全長HCVレプリコンRNAの一例である。

[0096]

[実施例2] 細胞内における全長HCVゲノムRNA複製細胞とウイルス粒子産生

(C) 細胞内における全長HCVゲノムRNAの複製とウイルス粒子の産生

上記の通り合成した全長HCVゲノムRNA(rJFH1、rJFH1/GND)のそれぞれを、様々な量で 、Huh7細胞から抽出したトータル細胞性RNAと混合して、RNA総量が10μgとなるように 調製した。次いでその混合RNAをエレクトロポレーション法によりHuh7細胞に導入した。 エレクトロポレーション処理を行ったHuh7細胞を培養ディッシュに播種し、12時間、2 4時間、48時間及び72時間培養した後に、細胞を回収して、細胞からRNAを抽出して 、ノーザンブロットで解析した。ノーザンブロット解析は、Molecular Cloning, A labor atory Manual, 2nd edition, J. Sambrook, E.F. Fritsch, T. Maniatis著、Cold Spring Harbor Laboratory Press (1989)の記載に従って行った。具体的には、培養後の細胞か ら抽出したRNAを変性アガロース電気泳動に供し、泳動終了後にRNAをポジティブチャージ ナイロン膜に転写した。pJFH1から作製した ^{32}P ラベルしたDNAまたはRNAプローブを、前記 のとおり膜に転写したRNAに対しハイブリダイゼーションさせ、次いでその膜を洗浄し、 それをフィルムに感光させることにより、JFH-1クローンの全長HCVゲノムRNAに特異的なR NAバンドを検出した。

[0097]

図2に示すように、rJFH1/GNDをトランスフェクションした場合、トランスフェクショ ン4時間後において、導入したRNAバンドは弱いシグナルとして確認できたが、時間の経 過とともにシグナルは減弱し、24時間後にはほとんどバンドのシグナルが確認できなか った。一方、rJFH1をトランスフェクションした場合、トランスフェクションの4時間後 $\sim 1~2$ 時間後には、導入したRNAバンドのシグナルの強さはrJFH1/GNDを導入した場合と同 様にいったん減弱したが、24時間以降にははっきりとしたRNAバンドのシグナルが確認 できた。確認されたシグナルはHCVゲノムRNAに特異的であった。つまり導入した全長HCV ゲノムRNAの一部が複製増殖したものと考えられた。RNA複製酵素であるNS5Bの活性モチー フを変異させたrJFH1/GNDでは複製はみられず、NS5Bの活性が全長HCVゲノムRNAの複製に 重要であることが示された。一方、これまでに分離されたH77株(非特許文献7)、J6株 (非特許文献8) や本発明者らが慢性肝炎から分離したJCH1株(非特許文献6) などのC 型肝炎ウイルス株に由来する全長HCVゲノムRNAについても同様の実験をおこなったが、こ れらの株では全長HCVゲノムRNAの複製は全く確認できなかった。

[0098]

(D) トランスフェクション細胞培養液中のHCVウイルス粒子の検出

上記に従ってエレクトロポレーション処理を行ったHuh7細胞を培養ディッシュに播種し 、12時間、24時間、48時間、及び72時間培養した後、培養上清中のHCVコアタン パク質を測定した。測定はオーソHCV抗原IRMAテストによって行った(非特許文献9)。 図3に示す通り、rJFH1をトランスフェクションして48時間後及び72時間後の培養上 清中にコアタンパク質が検出された。このコアタンパク質がウイルス粒子として分泌され ているかどうかを確認するため、rJFH1をトランスフェクションした72時間後の培養液 をショ糖密度勾配により分画した。60%(重量/重量)ショ糖溶液(50mM Tris pH7.5/0.1M NaCl/1mM EDTAに溶解) 2 ml、50%ショ糖溶液 1 ml、40%ショ糖溶液 1 ml、30%ショ糖溶液 1 ml、20%ショ糖溶液 1 ml、10%ショ糖溶液 1 mlを遠心チューブに重層し、さらにその上に サンプルの培養上清を4ml重層した。これをベックマンローターS W41Tiで400,000RPM、 4℃、16時間遠心した。遠心終了後遠心チューブの底から0.5mlずつ分画回収した。各分 画の密度、HCVコア蛋白濃度、全長HCVゲノムRNA量を定量した。全長HCVゲノムRNAの定量 的RT-PCRによる検出は、Takeuchi T, Katsume A, Tanaka T, Abe A, Inoue K, Tsukiyama -Kohara K, Kawaguchi R, Tanaka S, Kohara M. Real-Time detection system for quant ification of Hepatitis C virus genome. Gastroenterology 116: 636-642 (1999)に従 い、全長HCVゲノムRNAの5'非翻訳領域のRNAを検出することによって行った。具体的には 、細胞から抽出したRNAに含まれる全長HCVゲノムRNAを、合成プライマー、R6-130-S17: 5 -CGGGAGAGCCATAGTGG-3'(配列番号 1 6)、R6-290-R19: 5'-AGTACCACAAGGCCTTTCG-3 '(配列番号 1 7)、TaqMan Probe: R6-148-S21FT, 5'-CTGCGGAACCGGTGAGTACAC-3'(配列番号18)とEZ rTth RNA PCR kitを用いてPCR増幅し、次いでABI Prism 7700 seque nce detector systemにより検出した。

[0099]

図4に示すように11番のフラクションでコアタンパク質と全長HCVゲノムRNAのピーク が一致した。このフラクションの密度は約1.18mg/mlであり、これまで報告されているコ アタンパク質と核酸の結合物よりも軽い比重であった。さらに培養上清を0.25% NP40で処 理した後に同様の分画を行うと、コアタンパク質と全長HCVゲノムRNAのピークは比重約1. 28mg/mlへとシフトした。つまり、NP40処理により、脂質を含む比重の軽い表面膜がウイ ルス粒子から剥離して、核酸とコアタンパク質のみのコア粒子となった結果、比重が重く なったと考えられた。以上の結果から、rJFH1をHuh7細胞へトランスフェクションするこ とにより細胞内で全長HCVゲノムRNAが複製されたこと、さらにウイルス粒子が形成され、 培養上清中に分泌されたことが明らかになった。

[0100]

[実施例3]

(E) 全長HCVレプリコンRNA複製細胞の作製及び細胞クローンの樹立

実施例1で作製したrFGREP-JFH1及びrFGREP-JFH1/GNDを、実施例2と同様にしてHuh7細 胞へトランスフェクションして全長HCVレプリコンRNA複製細胞の作製を行い、さらに全長 HCVレプリコンRNA複製細胞クローンの樹立を試みた。

[0101]

まず、rFGREP-JFH1及びrFGREP-JFH1/GNDのそれぞれをHuh7細胞へトランスフェクション した後、培養ディッシュにその細胞を播種した。16時間から24時間培養した後にG418 を様々な濃度で添加した。週に2回培養液を交換しながら培養を継続した。21日間培養 した後、クリスタルバイオレットで生存細胞を染色した。染色されるコロニー数を計測し 、トランスフェクションしたRNA重量あたりに得られたコロニー数を計算した。また、一

部の培養ディッシュでは生存細胞のコロニーをクローン化して培養を継続した。クローン 化された細胞からRNA、ゲノムDNA、タンパク質をそれぞれ抽出した後、全長HCVレプリコ ンRNAの検出、ネオマイシン耐性遺伝子のゲノムDNAへの組み込みの有無、HCVタンパク質 の発現を検討した。これらの結果の詳細は下記に示す。

[0102]

(F) コロニー形成能

上記のトランスフェクションの結果、トランスフェクションしたレプリコンRNA $1 \mu g$ 当たりのコロニー形成能は、rFGREP-JFH1をトランスフェクションしたHuh7細胞では、G41 8濃度が1.0 mg/mlの場合、368 CFU (Colony Forming Unit; コロニー形成単位)/μg・RNA であった(図5の左側)。これに対して、rFGREP-JFH1/GNDをトランスフェクションしたH uh7細胞では、コロニー形成が認められなかった(図5の右側)。このことは、rFGREP-JF H1レプリコンRNAをトランスフェクションしたHuh7細胞のコロニー形成能は、rFGREP-JFH1 から発現されるNS5B (RNAポリメラーゼ) の活性に依存することを示した。つまり、コロ ニーを形成した細胞では、rFGREP-JFH1から発現されるNS5BのはたらきによりrFGREP-JFH1 レプリコンRNAが自律複製することによって、ネオマイシン耐性遺伝子が持続的に発現さ れG418耐性が維持される結果、細胞増殖が可能になったものと考えられた。

[0103]

(G) 樹立した細胞クローンにおける全長HCVレプリコンRNAの検出

上記(E)に従ってrFGREP-JFH1のHuh7細胞へのトランスフェクションにより樹立した全 長HCVレプリコンRNA複製細胞クローンから、酸性フェノール抽出法によりトータルRNAを 抽出した。次いでこのトータルRNAをノーザンブロット法により解析した。プローブとし てはpFGREP-JFH1特異的プローブを用いた。対照としては、トランスフェクションを行っ ていないHuh7細胞から同様に抽出したトータルRNA(図6中、「Huh7」として示す)、Huh 7細胞から抽出したトータルRNAに試験管内で合成したレプリコンRNAを10の7乗コピー加 えたサンプル(図 6 中、「1 0 7 」として示す)、及びHuh7細胞から抽出したトータルRNA に試験管内で合成したレプリコンRNAを10の8乗コピー加えたサンプル(図6中、「 10^8 」として示す)を用いた。図6中、1~4は細胞クローンの番号である。

[0104]

この結果、rFGREP-JFH1と同程度の大きさのRNAがpFGREP-JFH1特異的プローブにより検 出された(図6)。これにより、トランスフェクションしたrFGREP-JFH1レプリコンRNAが 細胞クローン内で複製増殖していることが確認された。また細胞クローン間で、レプリコ ンRNAの量に差があることが示された。図6中、例えば、クローン2はレプリコンRNAの量 が他のクローンに比べて少なかった。

[0105]

(H) ネオマイシン耐性遺伝子のゲノムDNAへの組み込みの有無の確認

(E)に従って得られた細胞クローン $1\sim 8$ (図 7 中ではFGR-JFH1/2- $1\sim$ FGR-JFH1/2-8と 表記)について、その細胞クローンのG418に対する耐性がネオマイシン耐性遺伝子の宿主 細胞ゲノムへの組み込みによるものでないことを確認するために、ネオマイシン耐性遺伝 子特異的プライマー (センスプライマー、NEO-S3:5'-AACAAGATGGATTGCACGCA-3'(配列番 号19),アンチセンスプライマー、NEO-R:5'-CGTCAAGAAGGCGATAGAAG-3'(配列番号20)) を用いて、細胞クローンから抽出した宿主細胞のゲノムDNAを鋳型とするPCR増幅を行 った。この結果、図7に示すとおり、ネオマイシン耐性遺伝子の増幅が示された陽性クロ ーンは認められなかった。

[0106]

この(H)の結果から、本発明の全長HCVレプリコンRNAをトランスフェクションし樹立し た細胞クローンでは、全長HCVレプリコンRNAが複製されていることが確認された。

[0107]

(I) <u>HCVタンパク質の検出</u>

rFGREP-JFH1をトランスフェクションし樹立した細胞クローンから常法によりタンパク 質を抽出して、SDS-PAGE及びウエスタンブロット法による解析を行った。調べた細胞クロ

ーンは、上記(G)で用いたものと同じである。合成した全長HCVゲノムRNAをHuh7細胞に 一過性にトランスフェクションして得られた細胞抽出液を陽性対照とした(図8、図9及 び図10中、JFH-1として示す)。HCVのサブジェノミックRNAレプリコン(SGR-JFH1)を トランスフェクションして得られたクローン細胞抽出液をcoreタンパク質の陰性対照とし て、及びNS3、NS5aタンパク質の陽性対照として用いた(図8、図9及び図10中、SGR-J FH1として示す)。トランスフェクションしていないHuh7細胞抽出液は全ての陰性対照と して用いた(図8、図9及び図10中、Huh7として示す)。それぞれの細胞クローンから 抽出したタンパク質試料をPVDF膜(Immobilon- P , Millipore社製)にブロッティングし 、抗core特異的抗体及び抗NS3特異的抗体(Dr. Moradpour より分与されたもの; Wolk B , et al, J. Virology. 2000; 74: 2293-2304) を用いて、全長HCVレプリコンRNAにコー ドされているcoreタンパク質及びNS3タンパク質を検出した。図8及び図9に示される通 り、rFGREP-JFH1をトランスフェクションし樹立した細胞クローン1~4では、それぞれ のタンパク質について陽性対照と同じ大きさのタンパク質が検出された。トランスフェク ションしていないHuh7細胞ではcoreタンパク質、及びNS3タンパク質も検出されなかった ため、細胞クローン1~4では、トランスフェクションされた全長HCVレプリコンRNAが自 律複製し、さらにcoreタンパク質やNS3タンパク質が発現されていることが確認された。

[0108]

なお、C型肝炎患者の血清を抗体として用いることにより、上記でNS3タンパク質の発 現が確認された各細胞クローンについて、全長HCVレプリコンRNAからのNS5Aタンパク質の 発現も同様に確認した(図10)。

[0109]

以上の(H)及び(I)の結果から、全長HCVレプリコンRNAをトランスフェクションし樹立 した細胞クローンでは、全長HCVレプリコンRNAが複製され、さらにウイルスタンパク質が 発現されていることが確認された。

[0110]

(J) 全長HCVレプリコンRNA複製細胞におけるウイルス粒子産生

上記(E)に従ってrFGREP-JFH1をHuh7細胞へトランスフェクションし、樹立した全長HCV レプリコンRNA複製細胞クローン2及び3(FGR-JFH1/2-3)の培養上清を回収して、上記(D)と同様の方法で、培養上清中のHCVウイルス粒子を測定した。この結果を図11に示す 。図11中、網掛けの円は各フラクション(画分)の比重(g/ml)を示す。また黒塗りの 円は、coreタンパク質の量 (fmol/L) を示す。白抜きの円は、全長HCVレプリコンRNAの力 価 (×0.1コピー/mL) を示す。

[0111]

図11に示すように、比重が約1.18~1.20 mg/mlとなるフラクションで、coreタンパク 質と全長HCVレプリコンRNAのピークは一致していた。またそれよりも軽い分画にも小さな ピークを認めた。以上の結果から、rFGREP-JFH11をトランスフェクションしたHuh7細胞中 では、全長HCVレプリコンRNAが複製されたこと、及びウイルス粒子が形成されて培養上清 中に分泌されたことが示された。

[0112]

「実施例4]

(K) 培養上清中のウイルス粒子の感染実験

(H)で用いた細胞クローン1~8 (FGR-JFH1/2-1、FGR-JFH1/2-2、FGR-JFH1/2-3、FGR-JFH1/2-4、FGR-JFH1/2-5、FGR-JFH1/2-6、FGR-JFH1/2-7、FGR-JFH1/2-8)のそれぞれの培 養上清をHuh7細胞に添加して、培養上清中のウイルス粒子をHuh7細胞に感染させた。感染 翌日に感染させたHuh7細胞の培養液にG418を0.3mg/ml添加し、さらに21日間培養した。 培養終了後に細胞を固定し、クリスタルバイオレットで染色したところ、FGR-JFH1/2-3、 FGR-JFH1/2-5、FGR-JFH1/2-6の培養上清を用いて感染させた細胞についてコロニー形成が 観察された。一方、対照に用いたサブジェノミックレプリコン細胞SGR-JFH1/4-1(非特許 文献6記載)の培養上清を用いて感染させた細胞ではコロニー形成はみられなかった。図 12に、FGR-JFH1/2-3とSGR-JFH1/4-1の培養上清4mlまたは8mlをHuh7細胞に添加し、2

1日間培養した後に染色した培養ディッシュの写真を示す。FGR-JFH1/2-3の培養上清4ml を添加した細胞を播種したディッシュには3コロニー、FGR-JFH1/2-3の培養上清8mlを添 加した細胞を播種したディッシュには9コロニーの形成を確認した。しかし、SGR-JFH1/4 -1の培養上清を添加した細胞を播種したディッシュではコロニー形成はみられなかった。

[0113]

FGR-JFH1/2-3、FGR-JFH1/2-5の培養上清を用いてC型肝炎ウイルスに感染させ、形成さ れたコロニーを、次いでクローン化した。FGR-JFH1/2-3の培養上清を用いた培養ディッシ ュから、FGR-JFH1/C2-3-11、FGR-JFH1/C2-3-12、FGR-JFH1/C2-3-13の3クローンを樹立し た。FGR-JFH1/C2-5の培養上清を用いた培養ディッシュから、FGR-JFH1/C2-5-11、FGR-JFH 1/C2-5-12の2クローンを樹立した。

[0114]

FGR-JFH1/C2-3-11、FGR-JFH1/C2-3-12、FGR-JFH1/C2-3-13、FGR-JFH1/C2-5-11、FGR-JF H1/C2-5-12の各細胞クローンの培養上清を用いて再度Huh7細胞を感染させると、FGR-JFH1 /C2-3-12、FGR-JFH1/C2-5-12の培養上清を用いた培養ディッシュではコロニーの形成が観 察された。FGR-JFH1/C2-3-12の培養上清を用いて感染させた細胞から、さらにFGR-JFH1/C 2-3-12-1, FGR-JFH1/C2-3-12-2の2クローンを樹立した。FGR-JFH1/C2-5-12の培養上清を 用いて感染させた細胞から、さらにFGR-JFH1/C2-5-12-1、FGR-JFH1/C2-5-12-2の2クロー ンを樹立した。

[0115]

以上の通り全長HCVレプリコンRNA複製細胞の培養上清を用いて感染させ、その感染細胞 より樹立したこれらの細胞クローンから、RNA、タンパク質、ゲノムDNAを抽出した。ゲノ ムDNAを鋳型としたPCRでネオマイシン耐性遺伝子の組み込みの有無を検討したところ、い ずれも陰性であった。また、RNAを鋳型とする定量的PCR法により、細胞内で複製している 全長HCVレプリコンRNAを検出することができた。さらに培養上清中にcoreタンパク質を検 出することができた。この結果は、本発明の全長HCVレプリコンRNA複製細胞から産生され た全長HCVレプリコンRNAを含むウイルス粒子が、新たな細胞に感染することができること を示している。

【産業上の利用可能性】

[0116]

本発明の方法により、HCVウイルス粒子を細胞培養系で作製することができる。また本 発明に係る全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを導入した細胞を用いれば、全長 HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを複製し、本発明のHCVウイルス粒子を細胞培養 系で持続的に産生させることができる。本発明の全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノ ムRNAを導入した細胞は、HCVの複製過程、ウイルス粒子形成過程、ウイルス粒子の細胞外 放出過程に影響を及ぼす各種物質をスクリーニングするための試験系として利用すること もできる。本発明の全長HCVレプリコンRNA及び全長HCVゲノムRNA並びにウイルス粒子は、 外来遺伝子のウイルスベクターとしても有用である。本発明のウイルス粒子又はその一部 分はまた、C型肝炎ウイルスに対するワクチン抗原としてワクチンに含有させることがで きる。さらに、本発明のウイルス粒子と他の細胞とを一緒に培養する系を、ウイルス粒子 の細胞への感染に影響を及ぼす各種物質をスクリーニングするための試験系として利用す ることができる。本発明の全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAはまた、HCVの全 長ゲノム配列を容易に複製することができる鋳型としても有用である。

【図面の簡単な説明】

[0117]

【図1】図1は、本発明の全長HCVレプリコンRNA又は全長HCVゲノムRNAを作製するた めの鋳型DNAの構築手順を示す概略図である。図1の上段は、T7プロモーターの下流 に全長HCVゲノムを挿入して作製したプラスミドクローンpJFH1の構造を示す。図1の 下段は、pJFH1のT7プロモーターと5'非翻訳領域の下流にネオマイシン耐性遺伝子とE MCV IRESを含むDNA断片を挿入した、全長HCVゲノム配列を含むプラスミドクローンpF GREP-JFH1の構造を示す。図中の記号は以下のとおりである。T7: T7 RNAプロモー

ター、5'UTR: 5'非翻訳領域、C: コアタンパク質、E1、E2: エンベロープ タンパク質。NS2、NS3、NS4A、NS4B、4A、4B: 非構造タンパク質 。 3 'UTR: 3'非翻訳領域。Age I、Pme I、Xba I: 制限酵素Age I、Pme I及びXba Iの切断部位。GDD: NS5Bタンパク質の活性中心に相当するアミノ酸モチーフGD Dの位置。neo: ネオマイシン耐性遺伝子、EMCV IRES (脳心 筋炎ウイルスの内部リボソーム結合部位)。

【図2】図2は、全長HCVゲノムRNAであるrJFH-1を導入したHuh7細胞におけるrJFH-1 の複製を示すノーザンブロット解析の結果を示す写真である。

【図3】図3は、培地中のHCVコアタンパク質の定量の結果を示す。白抜きの円はrJF H1を導入した細胞、黒塗りの円はrJFH1/GNDを導入した細胞を示す。

【図4】図4は、rJFH-1を導入したHuh7細胞の培養上清をショ糖密度勾配により分画 した各画分についての、HCVコアタンパク質量及び全長HCVゲノムRNA量、並びに比重 を示すグラフである。黒塗りの円はHCV コア(core)タンパク質、白抜きの円は全長HC VゲノムRNA、網掛けの円は比重を示す。

【図5】図5は、全長HCVレプリコンRNAであるrFGREP-JFH1をトランスフェクション したHuh7細胞のコロニー形成を示す写真である。

【図6】図6は、rFGREP-JFH1のHuh7細胞へのトランスフェクションにより樹立した 全長HCVレプリコンRNA複製細胞クローンにおける、全長HCVレプリコンRNAの複製を示 す写真である。

【図7】図7は、ゲノムDNA中へのネオマイシン耐性遺伝子の組み込みの有無を確認 するための、宿主細胞のゲノムDNAを鋳型とし、ネオマイシン耐性遺伝子特異的プラ イマーを用いてPCR増幅した結果を示す写真である。M:DNAサイズマーカー、P:陽 性対照、N:Huh7細胞。

【図8】図8は、全長HCVレプリコンRNAであるrFGREP-JFH1を導入したHuh7細胞にお けるcoreタンパク質の発現を示すウェスタンブロット解析の結果を示す写真である。

【図9】図9は、全長HCVレプリコンRNAであるrFGREP-JFH1を導入したHuh7細胞にお けるNS3タンパク質の発現を示すウェスタンブロット解析の結果を示す写真である。

【図10】図10は、全長HCVレプリコンRNAであるrFGREP-JFH1を導入したHuh7細胞 におけるNS5Aタンパク質の発現を示すウェスタンブロット解析の結果を示す写真であ る。

【図11】図11は、rFGREP-JFH1を導入したHuh7細胞の培養上清をショ糖密度勾配 により分画した各画分についての、HCV coreタンパク質の量及び全長HCVレプリコンR NA量、並びに比重を示すグラフである。黒塗りの円はHCV コア(core)タンパク質、白 抜きの円は全長HCVレプリコンRNA、網掛けの円は比重を示す。

【図12】図12は、全長HCVレプリコンRNA複製細胞の培養上清に含まれるウイルス 粒子を添加したHuh7細胞のコロニー形成を示す写真である。

【配列表フリーテキスト】

[0118]

配列番号1の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAの5'非翻訳領域を示す。

配列番号2の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのcoreタンパク質コード配列を 示す。

配列番号3の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのE1タンパク質コード配列を示

配列番号4の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのE2タンパク質コード配列を示 す。

配列番号5の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのNS2タンパク質コード配列を示

配列番号6の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのNS3タンパク質コード配列を示

配列番号7の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのNS4Aタンパク質コード配列を

示す。

配列番号8の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのNS4Bタンパク質コード配列を

配列番号9の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのNS5Aタンパク質コード配列を

配列番号10の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAのNS5Bタンパク質コード配列 を示す。

配列番号11の配列は、JFH-1クローン由来のHCVゲノムRNAの3'非翻訳領域を示す。

配列番号12の配列は、JFH-1クローン由来の全長HCVゲノムRNAを示す。

配列番号13の配列は、JFH-1クローン由来の全長HCVゲノムRNAを含むレプリコンRNAを示

配列番号14の配列は、アミノ酸モチーフGDDをGNDに変異させた、JFH-1クローン由来の 全長HCVゲノムRNAを示す。

配列番号15の配列は、アミノ酸モチーフGDDをGNDに変異させた、JFH-1クローン由来の 全長HCVゲノムRNAを含むレプリコンRNAを示す。

【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110> Toray Industries Inc. Tokyo Metropolitan Organization for Medical Research

<120> A nucleic acid construct comprising a full-length genome of human Hepatitis C virus, a recombinant cell transfected with the same replicating the full-length virus genome, and a process for producing human Hepatitis C virus particles

<130> P04-0110

<140>

<141>

<160> 20

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 340

<212> RNA

<213> Hepatitis C virus

<220>

<223> 5' non-translated region of hepatitis C virus genomic RNA derived from JFH-1 clone

<220>

<223> inventor: Wakita, Takaji

Inventor: Kato, Takanobu Inventor: Date, Tomoko

Inventor: Miyamoto, Michiko Inventor: Tanabe, Junichi Inventor: Sone, Saburo

<400> 1

accugecceu aauaggggeg acaeueegee augaaueaeu eeeeugugag gaacuaeugu 60 cuucacgcag aaagcgccua gccauggcgu uaguaugagu gucguacagc cuccaggccc 120 ccccucccg ggagagccau aguggucugc ggaaccggug aguacaccgg aauugccggg 180 aagacugggu ccuuucuugg auaaacccac ucuaugcccg gccauuuggg cgugcccccg 240 caagacugcu agccgaguag cguuggguug cgaaaggccu ugugguacug ccugauaggg 300 340 cgcuugcgag ugccccggga ggucucguag accgugcacc

<210> 2

<211> 573

<212> RNA

<213> Hepatitis C virus

```
<220>
<223> core protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived
from JFH-1 clone
<400> 2
augagcacaa auccuaaacc ucaaagaaaa accaaaagaa acaccaaccg ucgcccagaa 60
gacguuaagu ucccgggcgg cggccagauc guuggcggag uauacuuguu gccgcgcagg 120
ggccccaggu ugggugugcg cacgacaagg aaaacuucgg agcgguccca gccacguggg 180
agacgccagc ccauccccaa agaucggcgc uccacuggca aggccugggg aaaaccaggu 240
cgccccuggc cccuauaugg gaaugaggga cucggcuggg caggauggcu ccugucccc 300
cgaggcucuc gccccuccug gggccccacu gacccccggc auaggucgcg caacgugggu 360
aaagucaucg acacccuaac guguggcuuu gccgaccuca ugggguacau ccccgucgua 420
ggcgccccgc uuaguggcgc cgccagagcu gucgcgcacg gcgugagagu ccuggaggac 480
gggguuaauu augcaacagg gaaccuaccc gguuuccccu uuucuaucuu cuugcuggcc 540
                                                                   573
cuguuguccu gcaucaccgu uccggucucu gcu
<210> 3
 <211> 576
 <212> RNA
 <213> Hepatitis C virus
 <220>
 <223> El protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived
 from JFH-1 clone
 <400> 3
 gcccagguga agaauaccag uagcagcuac auggugacca augacugcuc caaugacagc 60
 aucacuugge agcucgagge ugcgguucuc cacguccccg ggugcguccc gugcgagaga 120
 guggggaaua cgucacggug uugggugcca gucucgccaa acauggcugu gcggcagccc 180
 ggugcccuca cgcagggucu gcggacgcac aucgauaugg uugugauguc cgccaccuuc 240
 ugcucugcuc ucuacguggg ggaccucugu ggcgggguga ugcucgcggc ccagguguuc 300
 aucgucucge egeaguacea eugguuugug eaagaaugea auugeuceau euaceeugge 360
 accaucacug gacaccgcau ggcaugggac augaugauga acuggucgcc cacggccacc 420
  augauccugg cguacgugau gcgcgucccc gaggucauca uagacaucgu uagcggggcu 480
  cacuggggcg ucauguucgg cuuggccuac uucucuaugc agggagcgug ggcgaagguc 540
                                                                    576
  auugucaucc uucugcuggc cgcuggggug gacgcg
  <210> 4
  <211> 1290
  <212> RNA
  <213> Hepatitis C virus
  <220>
  <223> E2 protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived
  from JFH-1 clone
```

<400> 4

```
ggcaccacca ccguuggagg cgcuguugca cguuccacca acgugauugc cggcguguuc 60
agccauggcc cucagcagaa cauucagcuc auuaacacca acggcaguug gcacaucaac 120
cguacugccu ugaauugcaa ugacuccuug aacaccggcu uucucgcggc cuuguucuac 180
accaaccgcu uuaacucguc agggugucca gggcgccugu ccgccugccg caacaucgag 240
gcuuuccgga uagggugggg cacccuacag uacgaggaua augucaccaa uccagaggau 300
augaggccgu acugcuggca cuaccccca aagccgugug gcguaguccc cgcgaggucu 360
guguguggcc caguguacug uuucacccc agcccgguag uagugggcac gaccgacaga 420
cguggagugc ccaccuacac auggggagag aaugagacag augucuuccu acugaacagc 480
accegacege egeagggeue augguuegge ugeaegugga ugaaeueeae ugguuueaee 540
aagacuugug gcgcgccacc uugccgcacc agagcugacu ucaacgccag cacggacuug 600
uugugcccua cggauuguuu uaggaagcau ccugaugcca cuuauauuaa gugugguucu 660
gggcccuggc ucacaccaaa gugccugguc cacuacccuu acagacucug gcauuacccc 720
ugcacaguca auuuuaccau cuucaagaua agaauguaug uagggggggu ugagcacagg 780
cucacggccg caugcaacuu cacucguggg gaucgcugcg acuuggagga cagggacagg 840
agucagcugu cuccucuguu gcacucuacc acggaauggg ccauccugcc cugcaccuac 900
ucagacuuac ccgcuuuguc aacuggucuu cuccaccuuc accagaacau cguggacgua 960
caauacaugu auggccucuc accugcuauc acaaaauacg ucguucgaug ggagugggug 1020
guacucuuau uccugcucuu agcggacgcc agagucugcg ccugcuugug gaugcucauc 1080
uuguugggcc aggccgaagc agcauuggag aaguuggucg ucuugcacgc ugcgagugcg 1140
 gcuaacugcc auggccuccu auauuuugcc aucuucuucg uggcagcuug gcacaucagg 1200
 ggucgggugg uccccuugac caccuauugc cucacuggcc uauggcccuu cugccuacug 1260
                                                                   1290
 cucauggeae ugeceeggea ggeuuaugee
```

```
<210> 5
<211> 651
```

<220>

<223> NS2 protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived from JFH-1 clone

<400> 5

```
uaugacgcac cugugcacgg acagauaggc guggguuugu ugauauugau cacccucuuc 60
acacucacce egggguauaa gacceuceuc ggccagugue uguggugguu gugcuaucuc 120
cugacccugg gggaagccau gauucaggag uggguaccac ccaugcaggu gcgcggcggc 180
cgcgauggca ucgcgugggc cgucacuaua uucugcccgg gugugguguu ugacauuacc 240
aaauggcuuu uggcguugcu ugggccugcu uaccucuuaa gggccgcuuu gacacaugug 300
ccguacuucg ucagagcuca cgcucugaua aggguaugcg cuuuggugaa gcagcucgcg 360
ggggguaggu auguucaggu ggcgcuauug gcccuuggca gguggacugg caccuacauc 420
uaugaccacc ucacaccuau gucggacugg gccgcuagcg gccugcgcga cuuagcgguc 480
gccguggaac ccaucaucuu caguccgaug gagaagaagg ucaucgucug gggagcggag 540
acggcugcau guggggacau ucuacaugga cuucccgugu ccgcccgacu cggccaggag 600
auccuccucg gcccagcuga uggcuacacc uccaaggggu ggaagcuccu u
```

<210> 6

<211> 1893

<212> RNA

<212> RNA

<213> Hepatitis C virus



<220>

<223> NS3 protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived from JFH-1 clone

```
<400> 6
gcucceauca cugcuuaugc ccagcaaaca cgaggccucc ugggcgccau aguggugagu 60
augacggggc gugacaggac agaacaggcc ggggaagucc aaauccuguc cacagucucu 120
caguccuucc ucggaacaac caucucgggg guuuugugga cuguuuacca cggagcuggc 180
aacaagacuc uagccggcuu acgggguccg gucacgcaga uguacucgag ugcugagggg 240
gacuugguag gcuggcccag ccccccuggg accaagucuu uggagccgug caagugugga 300
geeguegaee uauaueuggu eaegeggaae geugauguea ueeeggeueg gagaegeggg 360
gacaageggg gageauugeu euceeegaga eecauuuega eeuugaaggg gueeuegggg 420
gggccggugc ucugcccuag gggccacguc guugggcucu uccgagcagc ugugugcucu 480
cggggcgugg ccaaauccau cgauuucauc cccguugaga cacucgacgu uguuacaagg 540
ucucccacuu ucagugacaa cagcacgcca ccggcugugc cccagaccua ucaggucggg 600
uacuugcaug cuccaacugg caguggaaag agcaccaagg ucccugucgc guaugccgcc 660
cagggguaca aaguacuagu gcuuaacccc ucgguagcug ccacccuggg guuuggggcg 720
uaccuaucca aggeacaugg caucaaucce aacauuagga cuggagucag gaccgugaug 780
accggggagg ccaucacgua cuccacauau ggcaaauuuc ucgccgaugg gggcugcgcu 840
agcggcgccu augacaucau cauaugcgau gaaugccacg cuguggaugc uaccuccauu 900
cucggcaucg gaacgguccu ugaucaagca gagacagccg gggucagacu aacugugcug 960
 gcuacggcca cacccccgg gucagugaca accccccauc ccgauauaga agagguaggc 1020
 cucgggcggg agggugagau ccccuucuau gggagggcga uuccccuauc cugcaucaag 1080
 ggagggagac accugauuuu cugccacuca aagaaaaagu gugacgagcu cgcggcggcc 1140
 cuucggggca ugggcuugaa ugccguggca uacuauagag gguuggacgu cuccauaaua 1200
 ccagcucagg gagauguggu ggucgucgcc accgacgccc ucaugacggg guacacugga 1260
 gacuuugacu ccgugaucga cugcaaugua gcggucaccc aagcugucga cuucagccug 1320
 gaccccaccu ucacuauaac cacacagacu gucccacaag acgcugucuc acgcagucag 1380
 cgccgcggc gcacagguag aggaagacag ggcacuuaua gguauguuuc cacuggugaa 1440
 cgagccucag gaauguuuga caguguagug cuuugugagu gcuacgacgc aggggcugcg 1500
 ugguacgauc ucacaccage ggagaccace gucaggeuua gageguauuu caacacgeee 1560
 ggccuacccg ugugucaaga ccaucuugaa uuuugggagg caguuuucac cggccucaca 1620
 cacauagacg cccacuuccu cucccaaaca aagcaagcgg gggagaacuu cgcguaccua 1680
 guagecuaec aageuaeggu gugegeeaga geeaaggeee euceeeegue eugggaegee 1740
 auguggaagu gccuggcccg acucaagccu acgcuugcgg gccccacacc ucuccuguac 1800
 cguuugggcc cuauuaccaa ugaggucacc cucacacacc cugggacgaa guacaucgcc 1860
                                                                    1893
  acaugcaugc aagcugaccu ugaggucaug acc
```

```
<210> 7
<211> 162
<212> RNA
```

<213> Hepatitis C virus

<220>

<223> NS4A protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived from IFH-1 clone

```
<400>7
agcacguggg uccuagcugg aggaguccug gcagccgucg ccgcauauug ccuggcgacu 60
ggaugcguuu ccaucaucgg ccgcuugcac gucaaccagc gagucgucgu ugcgccggau 120
                                                                  162
aaggaggucc uguaugaggc uuuugaugag auggaggaau gc
<210> 8
<211> 783
<212> RNA
<213> Hepatitis C virus
<220>
<223> NS4B protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived
from JFH-1 clone
<400> 8
gccucuaggg cggcucucau cgaagagggg cagcggauag ccgagauguu gaaguccaag 60
auccaaggcu ugcugcagca ggccucuaag caggcccagg acauacaacc cgcuaugcag 120
gcuucauggc ccaaagugga acaauuuugg gccagacaca uguggaacuu cauuagcggc 180
auccaauacc ucgcaggauu gucaacacug ccagggaacc ccgcgguggc uuccaugaug 240
gcauucagug ccgcccucac caguccguug ucgaccagua ccaccauccu ucucaacauc 300
 augggaggcu gguuagcguc ccagaucgca ccacccgcgg gggccaccgg cuuugucguc 360
 aguggccugg ugggggcugc cgugggcagc auaggccugg guaaggugcu gguggacauc 420
 cuggcaggau auggugcggg cauuucgggg gcccucgucg cauucaagau caugucuggc 480
 gagaageccu cuauggaaga ugucaucaau cuacugecug ggauccugue ucegggagee 540
 cugguggugg gggucaucug cgcggccauu cugcgccgcc acgugggacc gggggagggc 600
 gegguecaau ggaugaacag geuuauugee uuugeuueea gaggaaaeea eguegeeeeu 660
 acucacuacg ugacggaguc ggaugcgucg cagcguguga cccaacuacu uggcucucuu 720
 acuauaacca gccuacucag aagacuccac aauuggauaa cugaggacug ccccauccca 780
                                                                    783
 ugc
 <210> 9
  <211> 1398
  <212> RNA
  <213> Hepatitis C virus
  <220>
  <223> NS5A protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived
  from JFH-1 clone
  <400> 9
  uccggauccu ggcuccgcga cgugugggac uggguuugca ccaucuugac agacuucaaa 60
  aauuggcuga ccucuaaauu guuccccaag cugcccggcc uccccuucau cucuugucaa 120
  aagggguaca agggugugug ggccggcacu ggcaucauga ccacgcgcug cccuugcggc 180
  gccaacaucu cuggcaaugu ccgccugggc ucuaugagga ucacagggcc uaaaaccugc 240
  augaacaccu ggcaggggac cuuuccuauc aauugcuaca cggagggcca gugcgcgccg 300
  aaacccccca cgaacuacaa gaccgccauc uggagggugg cggccucgga guacgcggag 360
  gugacgcagc augggucgua cuccuaugua acaggacuga ccacugacaa ucugaaaauu 420
  ccuugccaac uaccuucucc agaguuuuuc uccugggugg acggugugca gauccauagg 480
```

```
uuugcaccca caccaaagcc guuuuuccgg gaugaggucu cguucugcgu ugggcuuaau 540
uccuaugcug ucggguccca gcuucccugu gaaccugagc ccgacgcaga cguauugagg 600
ggaucaccuc caucugagge gagcuccuca gugagccage uaucagcace gucgcugegg 720
gccaccugca ccacccacag caacaccuau gacguggaca uggucgaugc caaccugcuc 780
auggagggcg guguggcuca gacagagccu gaguccaggg ugcccguucu ggacuuucuc 840
gagccaaugg ccgaggaaga gagcgaccuu gagcccucaa uaccaucgga gugcaugcuc 900
cccaggagcg gguuuccacg ggccuuaccg gcuugggcac ggccugacua caacccgccg 960
cucguggaau cguggaggag gccagauuac caaccgccca ccguugcugg uugugcucuc 1020
ccccccca agaaggcccc gacgccuccc ccaaggagac gccggacagu gggucugagc 1080
gagagcacca uaucagaagc ccuccagcaa cuggccauca agaccuuugg ccagccccc 1140
ucgagcggug augcaggcuc guccacgggg gcgggcgccg ccgaauccgg cgguccgacg 1200
ucccuggug agccggcccc cucagagaca gguuccgccu ccucuaugcc cccccucgag 1260
ggggagccug gagauccgga ccuggagucu gaucagguag agcuucaacc uccccccag 1320
ggggggggg uagcucccgg uucgggcucg gggucuuggu cuacuugcuc cgaggaggac 1380
                                                              1398
gauaccaccg ugugcugc
```

<210> 10 <211> 1773 <212> RNA <213> Hepatitis C virus

<220>

<223> NS5B protein-coding sequence of hepatitis C virus genomic RNA derived from IFH-1 clone

<400> 10 uccaugucau acuccuggac cggggcucua auaacucccu guagccccga agaggaaaag 60 uugccaauca acccuuugag uaacucgcug uugcgauacc auaacaaggu guacuguaca 120 acaucaaaga gcgccucaca gagggcuaaa aagguaacuu uugacaggac gcaagugcuc 180 gacgeceauu augaeucagu euuaaaggae aucaageuag eggeuuceaa ggueagegea 240 aggeuceuca ecuuggagga ggegugeeag uugaeuceae eceauucuge aagauceaag 300 uauggauucg gggccaagga gguccgcagc uuguccggga gggccguuaa ccacaucaag 360 uccgugugga aggaccuccu ggaagaccca caaacaccaa uucccacaac caucauggcc 420 aaaaaugagg uguucugcgu ggaccccgcc aaggggggua agaaaccagc ucgccucauc 480 guuuacccug accucggcgu ccgggucugc gagaaaaugg cccucuauga cauuacacaa 540 aagcuuccuc aggegguaau gggagcuucc uauggcuucc aguacucccc ugcccaacgg 600 guggaguauc ucuugaaagc augggcggaa aagaaggacc ccauggguuu uucguaugau 660 accegaugeu uegaeucaac egucaeugag agagaeauca ggaeegagga guceauauac 720 caggecugeu eccugecega ggaggecege acugecauae acuegeugae ugagagaeuu 780 uacguaggag ggcccauguu caacagcaag ggucaaaccu gcgguuacag acguugccgc 840 gccagcgggg ugcuaaccac uagcaugggu aacaccauca caugcuaugu gaaagcccua 900 gcggccugca aggcugcggg gauaguugcg cccacaaugc ugguaugcgg cgaugaccua 960 guagucaucu cagaaagcca ggggacugag gaggacgagc ggaaccugag agccuucacg 1020 gaggccauga ccagguacuc ugccccuccu ggugaucccc ccagaccgga auaugaccug 1080 gagcuaauaa cauccuguuc cucaaaugug ucuguggcgu ugggcccgcg gggccgccgc 1140 agauacuacc ugaccagaga cccaaccacu ccacucgccc gggcugccug ggaaacaguu 1200 agacacuccc cuaucaauuc auggcuggga aacaucaucc aguaugcucc aaccauaugg 1260 guucgcaugg uccuaaugac acacuucuuc uccauucuca ugguccaaga cacccuggac 1320

```
cagaaccuca acuuugagau guauggauca guauacuccg ugaauccuuu ggaccuucca 1380
gccauaauug agagguuaca cgggcuugac gccuuuucua ugcacacaua cucucaccac 1440
gaacugacge ggguggeuuc ageccucaga aaacuugggg egecaceecu cagggugugg 1500
aagagucggg cucgcgcagu cagggcgucc cucaucuccc guggagggaa agcggccguu 1560
ugeggeegau aucucuucaa uugggeggug aagaccaage ucaaacucae uccauugeeg 1620
gaggegece uacuggacuu auccaguugg uucacegueg gegeeggegg gggegacauu 1680
uuucacageg ugucgegege eegaceeege ucauuacucu ueggeeuacu eeuacuuuuc 1740
guagggguag gccucuuccu acuccccgcu cgg
                                                                  1773
<210> 11
<211> 239
<212> RNA
<213> Hepatitis C virus
<220>
<223> 3' non-translated region of hepatitis C virus genomic RNA derived from
JFH-1 clone
<400> 11
uagageggea cacacuaggu acacuccaua gcuaacuguu ccuuuuuuuu uuuuuuuuu 60
ининини инининини ининисини инининини сссисинси исссинсиса 120
ucuuauucua cuuucuuucu ugguggcucc aucuuagccc uagucacggc uagcugugaa 180
agguccguga gccgcaugac ugcagagagu gccguaacug gucucucugc agaucaugu 239
<210> 12
<211> 9707
<212> RNA
<213> Hepatitis C virus
<220>
<223> full-length Hepatitis C virus genomic RNA derived from JFH-1 clone
<400> 12
gaauucuaau acgacucacu auagaccugc cccuaauagg ggcgacacuc cgccaugaau 60
cacuccecug ugaggaacua cugucuucac gcagaaagcg ccuagccaug gcguuaguau 120
gagugucgua cagccuccag gcccccccu cccgggagag ccauaguggu cugcggaacc 180
ggugaguaca ccggaauugc cgggaagacu ggguccuuuc uuggauaaac ccacucuaug 240
cccggccauu ugggcgugcc cccgcaagac ugcuagccga guagcguugg guugcgaaag 300
gccuuguggu acugccugau agggcgcuug cgagugcccc gggaggucuc guagaccgug 360
caccaugage acaaauccua aaccucaaag aaaaaccaaa agaaacacca accgucgccc 420
agaagacguu aaguucccgg gcggcggcca gaucguuggc ggaguauacu uguugccgcg 480
caggggcccc agguugggug ugcgcacgac aaggaaaacu ucggagcggu cccagccacg 540
ugggagacgc cagcccaucc ccaaagaucg gcgcuccacu ggcaaggccu ggggaaaacc 600
aggucgecec uggececuau augggaauga gggacuegge ugggeaggau ggeueeugue 660
ccccgaggc ucucgccccu ccuggggccc cacugacccc cggcauaggu cgcgcaacgu 720
ggguaaaguc aucgacaccc uaacgugugg cuuugccgac cucauggggu acauccccgu 780
cguaggegee eegeuuagug gegeegeeag ageuguegeg eaeggeguga gagueeugga 840
ggacgggguu aauuaugcaa cagggaaccu acccgguuuc cccuuuucua ucuucuugcu 900
```

anguagaga cagguagaga anaccaguag 960
ggcccuguug uccugcauca ccguuccggu cucugcugcc caggugaaga auaccaguag 960
migroconning action in the dead actual actuals and the second of the sec
gguucuccac gucccgggu gcgucccgug cgagagagug gggaauacgu cacgguguug 1080
The state of the s
gaugecague uegecaaaca uggeugus gauguecage caccuucuge ueugeueueu aeguggggga 1200 gaegeacaue gauaugguug ugauguecage caccuucuge ueugeuegegg aguaecacug 1260
aculatiguage aggaligation illocogococa gguguucaue gueuegeege agaat a
The second contraction of the state of the s
augggacaug augaugaacu ggucgcccac ggccaccaug auccuggcgu acgugaugcg 1380
The same of the state of the st
and morning and adjudged of the particular of th
ugggguggac gcgggcacca ccaccguugg aggcgcuguu gcacguucca ccaacgugau 1560
and the second interest and the second description of the second
warman and an accompanie collips willig Cadugacucc uugaacacca godduosis a
The second confidence of the second control
The same with the control of the con
The margin of the state of the
agaaugaga oagaagagagagagagagagagagagagagagaga
according of the state of the s
accasascas accasascilli ollogrorococci accuigetge accasascas accasascas
The second design of the second design of the second secon
- Control of the cont
arman armana armanicam ilmiciicciicii gilligcacucu accaeggaau gggoodaasaa
The control of the co
and a manage of the contract o
and and an
and the control of th
academia academia accaminati accaminati (comanguina gecanemen negassas)
DACCACCIAN AGGREGATION IN THE PROPERTY OF THE
and addition of the property of the prope
acceptance of the second secon
and a companied carried by the contraction of the c
manager common and control in 193000 CC9C in ingacacan guscosaaca aosaa s
Ollo Grand 1911 GCGCIIIII GCGCIIIII GANGCAGCUC GCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
The marks through the control of the
The same of the description of the control of the c
and a contraction of the contrac
The second of the control of the con
and an analysis of the second control of the
The second of th
TOOLS SOURCE SOURCE STORES OF THE STORES OF
The same of the state of the st
TO COMPLETE COLOCULO
gaacccauu ucgaccuuga agggguccuc gggggggccg gugcucugcc cuaggggcca 3900
5-0-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-

cgucguuggg cucuuccgag cagcugugug cucucggggc guggccaaau ccaucgauuu 3960 cauccceguu gagacacucg acguuguuac aaggucuccc acuuucagug acaacagcac 4020 gccaccggcu gugccccaga ccuaucaggu cggguacuug caugcuccaa cuggcagugg 4080 aaagagcacc aaggucccug ucgcguaugc cgcccagggg uacaaaguac uagugcuuaa 4140 cccucggua gcugccaccc ugggguuugg ggcguaccua uccaaggcac auggcaucaa 4200 ucccaacauu aggacuggag ucaggaccgu gaugaccggg gaggccauca cguacuccac 4260 auauggcaaa uuucucgccg augggggcug cgcuagcggc gccuaugaca ucaucauaug 4320 cgaugaaugc cacgcugugg augcuaccuc cauucucggc aucggaacgg uccuugauca 4380 agcagagaca gccgggguca gacuaacugu gcuggcuacg gccacacccc ccgggucagu 4440 gacaaccccc caucccgaua uagaagaggu aggccucggg cgggagggug agauccccuu 4500 cuaugggagg gcgauucccc uauccugcau caagggaggg agacaccuga uuuucugcca 4560 cucaaagaaa aagugugacg agcucgcggc ggcccuucgg ggcaugggcu ugaaugccgu 4620 ggcauacuau agaggguugg acgucuccau aauaccagcu cagggagaug ugguggucgu 4680 cgccaccgac gcccucauga cgggguacac uggagacuuu gacuccguga ucgacugcaa 4740 uguageggue acceaageug uegaeuueag eeuggaeeee accuucaeua uaaceaeaa 4800 gacuguccca caagacgcug ucucacgcag ucagcgccgc gggcgcacag guagaggaag 4860 acagggcacu uauagguaug uuuccacugg ugaacgagcc ucaggaaugu uugacagugu 4920 agugcuuugu gagugcuacg acgcaggggc ugcgugguac gaucucacac cagcggagac 4980 caccgucagg cuuagagcgu auuucaacac gcccggccua cccguguguc aagaccaucu 5040 ugaauuuugg gaggcaguuu ucaccggccu cacacacaua gacgcccacu uccucuccca 5100 aacaaagcaa gcgggggaga acuucgcgua ccuaguagcc uaccaagcua cggugugcgc 5160 cagagecaag geceeucee egueeuggga egecaugugg aagugeeugg eeegaeucaa 5220 gccuacgcuu gcgggcccca caccucuccu guaccguuug ggcccuauua ccaaugaggu 5280 cacccucaca cacccuggga cgaaguacau cgccacaugc augcaagcug accuugaggu 5340 caugaccage acgugggucc uagcuggagg aguccuggca gccgucgccg cauauugccu 5400 ggcgacugga ugcguuucca ucaucggccg cuugcacguc aaccagcgag ucgucguugc 5460 gccggauaag gagguccugu augaggcuuu ugaugagaug gaggaaugcg ccucuagggc 5520 ggcucucauc gaagagggc agcggauagc cgagauguug aaguccaaga uccaaggcuu 5580 geugeageag geeucuaage aggeeeagga cauacaaeee geuaugeagg euucauggee 5640 caaaguggaa caauuuuggg ccagacacau guggaacuuc auuagcggca uccaauaccu 5700 cgcaggauug ucaacacugc cagggaaccc cgcgguggcu uccaugaugg cauucagugc 5760 cgcccucacc aguccguugu cgaccaguac caccauccuu cucaacauca ugggaggcug 5820 guuageguee cagauegeae caecegeggg ggeeaeegge uuugueguea guggeeuggu 5880 gggggcugcc gugggcagca uaggccuggg uaaggugcug guggacaucc uggcaggaua 5940 uggugcgggc auuucggggg cccucgucgc auucaagauc augucuggcg agaagcccuc 6000 uauggaagau gucaucaauc uacugccugg gauccugucu ccgggagccc uggugguggg 6060 ggucaucuge geggecauue ugegeegeea egugggaeeg ggggagggeg egguceaaug 6120 gaugaacagg cuuauugccu uugcuuccag aggaaaccac gucgccccua cucacuacgu 6180 gacggagucg gaugcgucgc agcgugugac ccaacuacuu ggcucucuua cuauaaccag 6240 cuggcuccgc gacguguggg acuggguuug caccaucuug acagacuuca aaaauuggcu 6360 gaccucuaaa uuguucccca agcugcccgg ccuccccuuc aucucuuguc aaaaggggua 6420 caagggugug ugggccggca cuggcaucau gaccacgcgc ugcccuugcg gcgccaacau 6480 cucuggcaau guccgccugg gcucuaugag gaucacaggg ccuaaaaaccu gcaugaacac 6540 cuggcagggg accuuuccua ucaauugcua cacggagggc cagugcgcgc cgaaaccccc 6600 cacgaacuac aagaccgcca ucuggagggu ggcggccucg gaguacgcgg aggugacgca 6660 gcaugggucg uacuccuaug uaacaggacu gaccacugac aaucugaaaa uuccuugcca 6720 acuaccuucu ccagaguuuu ucuccugggu ggacggugug cagauccaua gguuugcacc 6780 cacaccaaag ccguuuuucc gggaugaggu cucguucugc guugggcuua auuccuaugc 6840 ugucgggucc cagcuucccu gugaaccuga gcccgacgca gacguauuga gguccaugcu 6900

aacagauccg ccccacauca cggcggagac ugcggcgcgg cgcuuggcac ggggaucacc 690	3 0
aacagauccg ccccacauca cggcggagac ugcggcgggg ogcacgugc gggccaccug 70% uccaucugag gcgagcuccu cagugagcca gcuaucagca ccgucgcugc gggccaccug 70%	20
uccaucugag gcgagcuccu cagugagcca gcuaucagaa agaaagaa agaaagagagagagagagagagaga	80
caccaccac agcaacaccu augacgugga cauggucgau gccaaccugc ucauggaggg 70	40
caccaccac ageaacaccu augacegugu cadaga gugcccguu cuggacuuuc ucgagccaau 71- cgguguggcu cagacagagc cugaguccag ggugcccguu cuggacuuuc ucgagccaau 71-	00
ggccgaggaa gagagcgacc uugagcccuc aauaccaucg gagugcaugc uccccaggag 72	60
eggeunucca eggeennac eggeungge aeggeengae nacaaecege egenegugga 72	20
and add add add add add add add add add	
cauaucagaa gcccuccagc aacuggccau caagaccuuu ggccagcccc ccucgagcgg 74	500
The same of the sa	
man and a controlled to the time to the ti	
The manager and contracting an	
The manage of the control of the con	
The contract of the cont	
THE STATE OF THE PROPERTY OF T	
managed gacgcccattil attoacticagil cilladaaggac aucaagcdag eggedaeoda	
mula garge aggette the college collings aggs ggeggeed ungacueede eccadadas	
The same and the s	
The second recomming aggreent by a grant the second aggreent and the second aggreent	
The street of th	
anniage and angermice in aggregation aggregation angertal designation and aggregation aggregation and aggregation aggregation and aggregation and aggregation aggregation aggregation and aggregation aggr	
	-
The manufacture of the state of	
and a supplied to a conference of the supplied to the supplied	
- The magnetic first the contraction of the contrac	-
acaccada caagaaaga samaacaacada caagaaaga s	
The same of the control and th	
04100 0011001100 CHCXXXHQHQ HUUQUQQU USSSCCCSC	
The second of th	
and a supplementation of the contraction of the con	
according according activities of the second second activities and activities according to the second secon	
according according California	_
The management of the state of	
ma mila man cilinacata nilinacata di mandi (1800) Elle Cucaucucco sussumoso	
and a supply of the supply of	
an among and the light to the light tof the light to the light to the light to the light to the light t	
ANTICOCOCOCO HONOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCO	
attografia	
Helliggiage Hecalicillag eccuagueae ggenageagu gaaaggueeg agagoogoan	9000
gacugcagag agugccguaa cuggucucuc ugcagaucau gucuaga	9101
Prov904040 - 0 - 0 - 0 - 0 - 0 - 0 - 0 - 0 -	

```
<211> 11111
<212> RNA
<213> Artificial Sequence
```

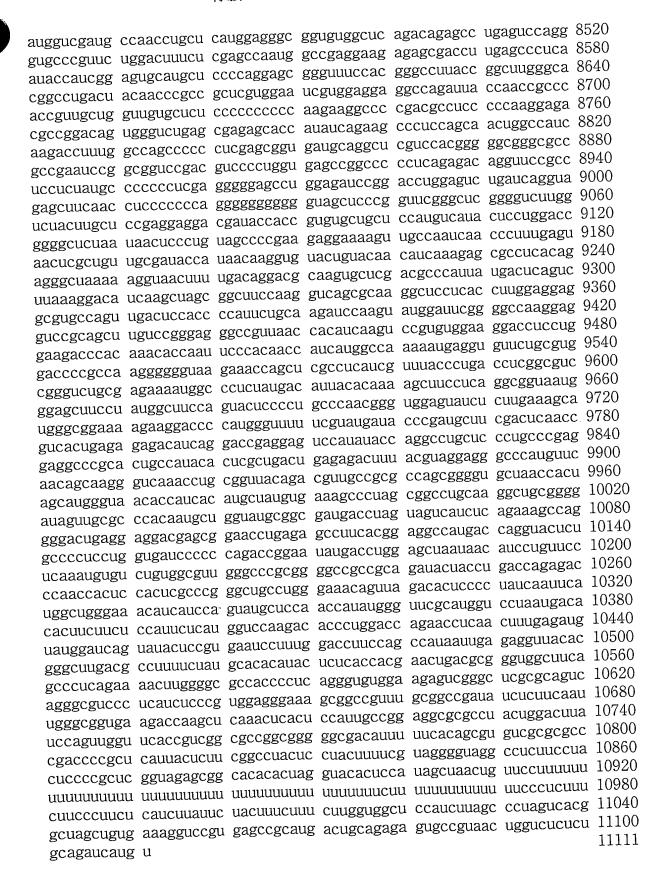
<220>

<223> Description of Artificial Sequence: replicon RNA comprising full-length Hepatitis C virus genomic RNA derived from JFH-1 clone

<400> 13 accugecceu aauaggggeg acacueegee augaaucaeu eeeeugugag gaacuacugu 60 cuucacgcag aaagcgccua gccauggcgu uaguaugagu gucguacagc cuccaggccc 120 ccccucccg ggagagccau aguggucugc ggaaccggug aguacaccgg aauugccggg 180 aagacugggu ccuuucuugg auaaacccac ucuaugcccg gccauuuggg cgugcccccg 240 caagacugcu agccgaguag cguuggguug cgaaaggccu ugugguacug ccugauaggg 300 cgcuugcgag ugccccggga ggucucguag accgugcacc augagcacaa auccuaaacc 360 ucaaagaaaa accaaaagaa acaccaaccg ucgcccaaug auugaacaag auggauugca 420 cgcagguucu ccggccgcuu ggguggagag gcuauucggc uaugacuggg cacaacagac 480 aaucggeuge ucugaugeeg eeguguuceg geugucageg eaggggegee egguucuuuu 540 ugucaagacc gaccuguccg gugcccugaa ugaacugcag gacgaggcag cgcggcuauc 600 guggcuggcc acgacgggcg uuccuugcgc agcugugcuc gacguuguca cugaagcggg 660 aagggacugg cugcuauugg gcgaagugcc ggggcaggau cuccugucau cucaccuugc 720 uccugeegag aaaguaueea ucauggeuga ugeaaugegg eggeugeaua egeuugauee 780 ggcuaccugc ccauucgacc accaagcgaa acaucgcauc gagcgagcac guacucggau 840 ggaagccggu cuugucgauc aggaugaucu ggacgaagag caucaggggc ucgcgccagc 900 cgaacuguuc gccaggcuca aggcgcgcau gcccgacggc gaggaucucg ucgugaccca 960 uggegaugee ugeuugeega auaucauggu ggaaaaugge egeuuuucug gauucaucga 1020 cuguggccgg cugggugugg cggaccgcua ucaggacaua gcguuggcua cccgugauau 1080 ugcugaagag cuuggcggcg aaugggcuga ccgcuuccuc gugcuuuacg guaucgccgc 1140 uccegatucg cagegeateg ceuteuateg ceuteutgac gaguteuteu gagutuaaac 1200 ccucucccuc cccccccu aacguuacug gccgaagccg cuuggaauaa ggccggugug 1260 cguuugucua uauguuauuu uccaccauau ugccgucuuu uggcaaugug agggcccgga 1320 aaccuggeee ugueuucuug acgageauuc cuaggggucu uucceeucuc gecaaaggaa 1380 ugcaaggucu guugaauguc gugaaggaag caguuccucu ggaagcuucu ugaagacaaa 1440 caacgucugu agegacccuu ugeaggeage ggaaccccc accuggegac aggugecucu 1500 gcggccaaaa gccacgugua uaagauacac cugcaaaggc ggcacaaccc cagugccacg 1560 uugugaguug gauaguugug gaaagaguca aauggcucuc cucaagcgua uucaacaagg 1620 ggcugaagga ugcccagaag guaccccauu guaugggauc ugaucugggg ccucggugca 1680 caugcuuuac auguguuuag ucgagguuaa aaaaacgucu aggccccccg aaccacgggg 1740 acgugguuuu ccuuugaaaa acacgaugau accaugagca caaauccuaa accucaaaga 1800 aaaaccaaaa gaaacaccaa ccgucgccca gaagacguua aguucccggg cggcggccag 1860 aucguuggcg gaguauacuu guugccgcgc aggggcccca gguugggugu gcgcacgaca 1920 aggaaaacuu cggagcgguc ccagccacgu gggagacgcc agcccauccc caaagaucgg 1980 cgcuccacug gcaaggccug gggaaaacca ggucgccccu ggccccuaua ugggaaugag 2040 ggacucggcu gggcaggaug gcuccugucc ccccgaggcu cucgccccuc cuggggcccc 2100 acugacecce ggeauaggue gegeaacgug gguaaaguea uegacacecu aacgugugge 2160 uuugccgacc ucauggggua cauccccguc guaggcgccc cgcuuagugg cgccgccaga 2220 gcugucgcgc acggcgugag aguccuggag gacgggguua auuaugcaac agggaaccua 2280 cccgguuucc ccuuuucuau cuucuugcug gcccuguugu ccugcaucac cguuccgguc 2340 ucugcugccc aggugaagaa uaccaguagc agcuacaugg ugaccaauga cugcuccaau 2400 gacagcauca cuuggcagcu cgaggcugcg guucuccacg uccccgggug cgucccgugc 2460 gagagagugg ggaauacguc acgguguugg gugccagucu cgccaaacau ggcugugcgg 2520 cagcccggug cccucacgca gggucugcgg acgcacaucg auaugguugu gauguccgcc 2580 accuucugcu cugcucucua cgugggggac cucuguggcg gggugaugcu cgcggcccag 2640 guguucaucg ucucgccgca guaccacugg uuugugcaag aaugcaauug cuccaucuac 2700 ccuggcacca ucacuggaca ccgcauggca ugggacauga ugaugaacug gucgccacg 2760 gccaccauga uccuggegua egugaugege gucceegagg ucaucauaga caucguuage 2820 ggggcucacu ggggcgucau guucggcuug gccuacuucu cuaugcaggg agcgugggcg 2880 aaggucauug ucauccuucu gcuggccgcu gggguggacg cgggcaccac caccguugga 2940 ggcgcuguug cacguuccac caacgugauu gccggcgugu ucagccaugg cccucagcag 3000 aacauucagc ucauuaacac caacggcagu uggcacauca accguacugc cuugaauugc 3060 aaugacuccu ugaacaccgg cuuucucgcg gccuuguucu acaccaaccg cuuuaacucg 3120 ucaggguguc cagggcgccu guccgccugc cgcaacaucg aggcuuuccg gauagggugg 3180 ggcacccuac aguacgagga uaaugucacc aauccagagg auaugaggcc guacugcugg 3240 cacuacccc caaagccgug uggcguaguc cccgcgaggu cugugugugg cccaguguac 3300 uguuucaccc ccagcccggu aguagugggc acgaccgaca gacguggagu gcccaccuac 3360 acauggggag agaaugagac agaugucuuc cuacugaaca gcacccgacc gccgcagggc 3420 ucaugguucg gcugcacgug gaugaacucc acugguuuca ccaagacuug uggcgcgcca 3480 ccuugccgca ccagagcuga cuucaacgcc agcacggacu uguugugccc uacggauugu 3540 uuuaggaagc auccugaugc cacuuauauu aagugugguu cugggcccug gcucacacca 3600 aagugccugg uccacuaccc uuacagacuc uggcauuacc ccugcacagu caauuuuacc 3660 aucuucaaga uaagaaugua uguagggggg guugagcaca ggcucacggc cgcaugcaac 3720 uucacucgug gggaucgcug cgacuuggag gacagggaca ggagucagcu gucuccucug 3780 uugcacucua ccacggaaug ggccauccug cccugcaccu acucagacuu acccgcuuug 3840 ucaacugguc uucuccaccu ucaccagaac aucguggacg uacaauacau guauggccuc 3900 ucaccugcua ucacaaaaua cgucguucga ugggaguggg ugguacucuu auuccugcuc 3960 uuageggaeg ecagagueug egeeugeuug uggaugeuea ueuuguuggg ecaggeegaa 4020 gcagcauugg agaaguuggu cgucuugcac gcugcgagug cggcuaacug ccauggccuc 4080 cuauauuuug ccaucuucuu cguggcagcu uggcacauca ggggucgggu gguccccuug 4140 accaccuauu gccucacugg ccuauggccc uucugccuac ugcucauggc acugcccgg 4200 caggeuuaug ceuaugaege accugugeae ggacagauag geguggguuu guugauauug 4260 aucacccucu ucacacucac cccgggguau aagacccucc ucggccagug ucuguggugg 4320 uugugcuauc uccugacccu gggggaagcc augauucagg aguggguacc acccaugcag 4380 gugcgcggcg gccgcgaugg caucgcgugg gccgucacua uauucugccc ggguguggug 4440 uuugacauua ccaaauggcu uuuggcguug cuugggccug cuuaccucuu aagggccgcu 4500 uugacacaug ugccguacuu cgucagagcu cacgcucuga uaaggguaug cgcuuuggug 4560 aagcagcucg cgggggguag guauguucag guggcgcuau uggcccuugg cagguggacu 4620 ggcaccuaca ucuaugacca ccucacaccu augucggacu gggccgcuag cggccugcgc 4680 gacuuagcgg ucgccgugga acccaucauc uucaguccga uggagaagaa ggucaucguc 4740 uggggagcgg agacggcugc auguggggac auucuacaug gacuucccgu guccgcccga 4800 cucggccagg agauccuccu cggcccagcu gauggcuaca ccuccaaggg guggaagcuc 4860 cuugcuccca ucacugcuua ugcccagcaa acacgaggcc uccugggcgc cauaguggug 4920 aguaugacgg ggcgugacag gacagaacag gccggggaag uccaaauccu guccacaguc 4980 ucucaguccu uccucggaac aaccaucucg gggguuuugu ggacuguuua ccacggagcu 5040 ggcaacaaga cucuagccgg cuuacggggu ccggucacgc agauguacuc gagugcugag 5100 ggggacuugg uaggcuggcc cagcccccu gggaccaagu cuuuggagcc gugcaagugu 5160 ggagccgucg accuauaucu ggucacgcgg aacgcugaug ucaucccggc ucggagacgc 5220 ggggacaagc ggggagcauu gcucucccg agacccauuu cgaccuugaa gggguccucg 5280 ggggggccgg ugcucugccc uaggggccac gucguugggc ucuuccgagc agcugugugc 5340 ucucggggcg uggccaaauc caucgauuuc auccccguug agacacucga cguuguuaca 5400 aggucuccca cuuucaguga caacagcacg ccaccggcug ugccccagac cuaucagguc 5460

13/

ggguacuugc augcuccaac uggcagugga aagagcacca aggucccugu cgcguaugcc 5520 gcccaggggu acaaaguacu agugcuuaac cccucgguag cugccacccu gggguuuggg 5580 gcguaccuau ccaaggcaca uggcaucaau cccaacauua ggacuggagu caggaccgug 5640 augaccgggg aggccaucac guacuccaca uauggcaaau uucucgccga ugggggcugc 5700 gcuagcggcg ccuaugacau caucauaugc gaugaaugcc acgcugugga ugcuaccucc 5760 auucucggca ucggaacggu ccuugaucaa gcagagacag ccggggucag acuaacugug 5820 cuggcuacgg ccacacccc cgggucagug acaaccccc aucccgauau agaagaggua 5880 ggccucgggc gggaggguga gauccccuuc uaugggaggg cgauuccccu auccugcauc 5940 aagggaggga gacaccugau uuucugccac ucaaagaaaa agugugacga gcucgcggcg 6000 gcccuucggg gcaugggcuu gaaugccgug gcauacuaua gaggguugga cgucuccaua 6060 auaccagcuc agggagaugu gguggucguc gccaccgacg cccucaugac gggguacacu 6120 ggagacuuug acuccgugau cgacugcaau guagcgguca cccaagcugu cgacuucagc 6180 cuggacccca ccuucacuau aaccacacag acugucccac aagacgcugu cucacgcagu 6240 cagcgccgcg ggcgcacagg uagaggaaga cagggcacuu auagguaugu uuccacuggu 6300 gaacgagccu caggaauguu ugacagugua gugcuuugug agugcuacga cgcaggggcu 6360 gcgugguacg aucucacacc agcggagacc accgucaggc uuagagcgua uuucaacacg 6420 cccggccuac ccguguguca agaccaucuu gaauuuuggg aggcaguuuu caccggccuc 6480 acacacauag acgcccacuu ccucucccaa acaaagcaag cgggggagaa cuucgcguac 6540 cuaguagecu accaageuae ggugugegee agagecaagg ecceuecee gueeugggae 6600 gccaugugga agugccuggc ccgacucaag ccuacgcuug cgggccccac accucuccug 6660 uaccguuugg gcccuauuac caaugagguc acccucacac acccugggac gaaguacauc 6720 gccacaugca ugcaagcuga ccuugagguc augaccagca cguggguccu agcuggagga 6780 guccuggcag ccgucgccgc auauugccug gcgacuggau gcguuuccau caucggccgc 6840 uugcacguca accagcgagu cgucguugcg ccggauaagg agguccugua ugaggcuuuu 6900 gaugagaugg aggaaugcgc cucuagggcg gcucucaucg aagaggggca gcggauagcc 6960 gagauguuga aguccaagau ccaaggcuug cugcagcagg ccucuaagca ggcccaggac 7020 auacaacceg cuaugcagge uucauggeec aaaguggaac aauuuuggge cagacacaug 7080 uggaacuuca uuagcggcau ccaauaccuc gcaggauugu caacacugcc agggaacccc 7140 gegguggeuu ceaugaugge auucagugee geecucaeea gueeguugue gaeeaguaee 7200 accauccuuc ucaacaucau gggaggcugg uuagcguccc agaucgcacc acccgcgggg 7260 gccaccggcu uugucgucag uggccuggug ggggcugccg ugggcagcau aggccugggu 7320 aaggugcugg uggacauccu ggcaggauau ggugcgggca uuucgggggc ccucgucgca 7380 uucaagauca ugucuggcga gaagcccucu auggaagaug ucaucaaucu acugccuggg 7440 auccugucuc cgggagcccu gguggugggg gucaucugcg cggccauucu gcgccgccac 7500 gugggaccgg gggagggcgc gguccaaugg augaacaggc uuauugccuu ugcuuccaga 7560 ggaaaccacg ucgccccuac ucacuacgug acggagucgg augcgucgca gcgugugacc 7620 caacuacuug gcucucuuac uauaaccagc cuacucagaa gacuccacaa uuggauaacu 7680 gaggacugcc ccaucccaug cuccggaucc uggcuccgcg acguguggga cuggguuugc 7740 accaucuuga cagacuucaa aaauuggcug accucuaaau uguuccccaa gcugcccggc 7800 cucccuuca ucucuuguca aaagggguac aagggugugu gggccggcac uggcaucaug 7860 accacgcgcu gcccuugcgg cgccaacauc ucuggcaaug uccgccuggg cucuaugagg 7920 aucacagggc cuaaaaccug caugaacacc uggcagggga ccuuuccuau caauugcuac 7980 acggagggcc agugcgcgcc gaaacccccc acgaacuaca agaccgccau cuggagggug 8040 gcggccucgg aguacgcgga ggugacgcag caugggucgu acuccuaugu aacaggacug 8100 accacugaca aucugaaaau uccuugccaa cuaccuucuc cagaguuuuu cuccugggug 8160 gacggugugc agauccauag guuugcaccc acaccaaagc cguuuuuuccg ggaugagguc 8220 ucguucugcg uugggcuuaa uuccuaugcu gucggguccc agcuucccug ugaaccugag 8280 cccgacgcag acguauugag guccaugcua acagauccgc cccacaucac ggcggagacu 8340 gcggcgcggc gcuuggcacg gggaucaccu ccaucugagg cgagcuccuc agugagccag 8400 cuaucagcac cgucgcugcg ggccaccugc accacccaca gcaacaccua ugacguggac 8460



<210> 14 <211> 11111 <212> RNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: full-length Hepatitis C virus genomic RNA derived from JFH-1 clone, wherein an amino acid motif GDD has been mutated into GND

<400> 14 accugecceu aauaggggeg acaeueegee augaaueaeu eeeeugugag gaacuaeugu 60 cuucacgcag aaagcgccua gccauggcgu uaguaugagu gucguacagc cuccaggccc 120 ccccucccg ggagagccau aguggucugc ggaaccggug aguacaccgg aauugccggg 180 aagacugggu ccuuucuugg auaaacccac ucuaugcccg gccauuuggg cgugccccg 240 caagacugcu agccgaguag cguuggguug cgaaaggccu ugugguacug ccugauaggg 300 cgcuugcgag ugccccggga ggucucguag accgugcacc augagcacaa auccuaaacc 360 ucaaagaaaa accaaaagaa acaccaaccg ucgcccaaug auugaacaag auggauugca 420 cgcagguucu ccggccgcuu ggguggagag gcuauucggc uaugacuggg cacaacagac 480 aaucggcugc ucugaugccg ccguguuccg gcugucagcg caggggcgcc cgguucuuuu 540 ugucaagacc gaccuguccg gugcccugaa ugaacugcag gacgaggcag cgcggcuauc 600 guggcuggcc acgacgggcg uuccuugcgc agcugugcuc gacguuguca cugaagcggg 660 aagggacugg cugcuauugg gcgaagugcc ggggcaggau cuccugucau cucaccuugc 720 uccugecgag aaaguaucca ucauggeuga ugcaaugegg eggeugeaua egeuugauce 780 ggcuaccugc ccauucgacc accaagcgaa acaucgcauc gagcgagcac guacucggau 840 ggaagccggu cuugucgauc aggaugaucu ggacgaagag caucaggggc ucgcgccagc 900 cgaacuguuc gccaggcuca aggcgcgcau gcccgacggc gaggaucucg ucgugaccca 960 uggcgaugcc ugcuugccga auaucauggu ggaaaauggc cgcuuuucug gauucaucga 1020 cuguggccgg cugggugugg cggaccgcua ucaggacaua gcguuggcua cccgugauau 1080 ugcugaagag cuuggcggcg aaugggcuga ccgcuuccuc gugcuuuacg guaucgccgc 1140 uccegauucg cagegeaucg ceuucuaucg ceuucuugae gaguucuucu gaguuuaaae 1200 ccucucccuc cccccccu aacguuacug gccgaagccg cuuggaauaa ggccggugug 1260 cguuugucua uauguuauuu uccaccauau ugccgucuuu uggcaaugug agggcccgga 1320 aaccuggece ugucuucuug acgageauuc cuaggggucu uuceecucuc gecaaaggaa 1380 ugcaaggucu guugaauguc gugaaggaag caguuccucu ggaagcuucu ugaagacaaa 1440 caacgucugu agcgacccuu ugcaggcagc ggaacccccc accuggcgac aggugccucu 1500 gcggccaaaa gccacgugua uaagauacac cugcaaaggc ggcacaaccc cagugccacg 1560 uugugaguug gauaguugug gaaagaguca aauggcucuc cucaagcgua uucaacaagg 1620 ggcugaagga ugcccagaag guaccccauu guaugggauc ugaucugggg ccucggugca 1680 caugcuuuac auguguuuag ucgagguuaa aaaaacgucu aggccccccg aaccacgggg 1740 acgugguuuu ccuuugaaaa acacgaugau accaugagca caaauccuaa accucaaaga 1800 aaaaccaaaa gaaacaccaa ccgucgccca gaagacguua aguucccggg cggcggccag 1860 aucguuggcg gaguauacuu guugccgcgc aggggcccca gguugggugu gcgcacgaca 1920 aggaaaacuu cggagcgguc ccagccacgu gggagacgcc agcccauccc caaagaucgg 1980 cgcuccacug gcaaggccug gggaaaacca ggucgccccu ggccccuaua ugggaaugag 2040 ggacucggcu gggcaggaug gcuccugucc ccccgaggcu cucgccccuc cuggggcccc 2100 acugacecce ggeauaggue gegeaacgug gguaaaguea uegaeacecu aacgugugge 2160 uuugccgacc ucauggggua cauccccguc guaggcgccc cgcuuagugg cgccgccaga 2220 gcugucgcgc acggcgugag aguccuggag gacgggguua auuaugcaac agggaaccua 2280 cccgguuucc ccuuuucuau cuucuugcug gcccuguugu ccugcaucac cguuccgguc 2340 ucugcugccc aggugaagaa uaccaguagc agcuacaugg ugaccaauga cugcuccaau 2400 gacagcauca cuuggcagcu cgaggcugcg guucuccacg uccccgggug cgucccgugc 2460 gagagagugg ggaauacguc acgguguugg gugccagucu cgccaaacau ggcugugcgg 2520

2590
cageceggug eccueaegea gggueugegg aegeaeaueg auaugguugu gaugueegee 2580
all control of the co
and the state of t
manage unacumana compalitora ligggacauga ugaugaacug guogocaas
The second in the standard of
account account and the first and the first account and the first account account and the first account and the first account
The state of the s
and a complete the second of t
The standard of the standard o
are all time acace and cilling if the period of the period
and congress of the state of th
coogcomin ilancollabile eccollabile designadas coogsistent
and confection and an income and an income and an entire an entire and a
and the second of the second s
mular religion mailgantiit alligantiit active coagacaas assassas
manage outcourging cacillalially anguguguu cugascecus southern
The state of the s
and the control of th
according Cascilliags Sylvasian againment and according Cascilliags Sylvasian againment and according Cascilliags of Sylvasian againment and according to the Sylvasian againment againment and according to the Sylvasian againment
acadagacaa acadaganaa aacagaanaa acadagaanaa acadagaanaa
The standard of the standard o
Transparent in the control of the co
and the controlled controlled light light and the control of the c
contouring contouring contouring contour aggregation and aggregation aggregation and aggregati
accurate accuracing collaborate fillengean agenerals accurate accu
acupuração accipiração acciloitocae obacadadas gegugagada subsuladas
and a serious recognition of the serious serious and serious serious and serio
and the contract of the contra
and accordance cancerding cancerding of Colicacua uauucugeee seeds
acapallagell lilliage oillig cilligggeng enaceden aaggeoge
aggreen aggreen aggreen aggreen aggreen neighbors and aggreen aggreen aggreen aggreen aggreen aggreen aggreen
The second stationages concerns all all all all all all all all all al
and the december of the second
and of the second and the second supplies the second secon
agentalicalication of the control of
The season incontacting inaccessory acacetages accurages according in the contact according to t
and and anomitted and action of the property o
and our recording and stilling byggilling graduguda coacharda and
and another can chilise agong (Cobile aganguature gagageagas
and the design of the control of the
and a containation delicator of AUCSCHEARE acaretices aces aces
and a decorated and a control of the
manage trace 333110 Californillile auceeegue agacaeuega egauguadu vivi
aggucucca cuducaguga caacagcaes oodoogs o company aggucuccugu cgcguaugcc 5520 ggguacuugc augcuccaac uggcagugga aagagcacca aggucccugu cgcguaugcc 5520
出証券2005-302

gcccaggggu acaaaguacu agugcuuaac cccucgguag cugccacccu gggguuuggg 5580
amaganage diacilecaes Hallygeaday uncuegees "88880"
action contract Calibalianor, Danibaging grands and contract and contr
The state of the s
and connected the series of th
and
The same and concentral illinciaces. Illinated agustisation of the same and the sam
man manufacciti gaallaccollo ocallacuada gaggguagga ogustas
accompanioni agilagilagila accompanioni acco
Second of the second control of the second o
2000 0011100011011 990090 4CHEUCCAC aagacgoogs 500000
The same according 11303003303 (NyggLacuu adagguadga adaggaa
and an analy an analy and an analy and an analy and an analy and an analy analy an analy
and the control of th
as a minimized of the control of the
and and anguage continuation and all and anguage continuation and angua
The second constitution of the second constituti
manage magaziniza caaligagolic accounted accounted accounted
and a contraction of the property of the prope
according controlling (Charles against
and the second of the second o
and control of the co
allowed of the second of the s
The same of the control of the same of the
acourant acourant attition of the first of t
Transport to the state of the s
and the second state of the second se
Transcaller according to the second s
Targuages assured assured allegassing academic academics
aggregation of the second control of the second sec
agodatosas managanda dalikasina sasaran agodatosas managana agodatosas managana agodatosas managana agodatosas
The second reduced the second
The control of the co
acourage acourage of the contract of the contr
and constituted and control of the c
and the state of t
manus
and ottopolocity calloantact liberages conductions and analysis
and career and control assisting the control of the
aniocacada dollogrocad Callogolica acarcada acaragamas and
The same of the sa
amus amus course of the first o
The state of the s
and the second of the second s
The manufacture againt actual (CANCORAGE CRASCORE Agage Code agage
amigration agresses 3CCACCCaCa geadacacaa agacgaggae o xo
allogicasila ccaaccugcu cauggagggc gguguggcuc agacagagee ugagueeugg eer
出訴特2005-3020

0500
gugcccguuc uggacuuucu cgagccaaug gccgaggaag agagcgaccu ugagcccuca 8580
arrange and collection of the contract of the
ammanaga acaaccaga gallagilgann ucguggagga ggcagadda cadaaagaa a
and the control of th
amagement independent of the contraction of the con
accounting accounted the supplied of the suppl
magraphica acadicase officeeffigil asaccases concasses assumes of the
The strategies of the control of the strategies
TO TOURISH OF CHICACACACA GOODGOOGGO GUAGAUCCA GUUCGGGCUC GASAUCUASA COO
THE THE COMPANY COMPANY CONTINUES CO
mmmalicula ilageliecello ilageleecaa gaggadadgu ugeedaueaa eesaaagasa vii
and the control of th
aggregation agreement in the contraction of the con
THIS DO THE DOCUMENT OF THE PROPERTY OF THE PR
magaracagu ugacuccace cealilleligea agauccaagu auggauucgg ggeedaggag viis
migargaren ingiceggggg ggeegilliaae cacaucaagu eeguguggaa ggaeeaeag viis
mangaccac agacaccasti ilcccacasce aucauggetta aaaaugaggu guudugagag oo io
magagagas aggagagaisa gaaaccagcii cgccucaucg uuuacccuga ccacggogas voos
- manusura agagaguigge cellellallas Alliacacada agenucenca agagadada
gradulical aligacillica glisciicccii gcccaacggg uggaguaucu cuugaaagca viii
The second of th
The street of th
The managed of the control of the co
manager michagerija comillacada ColligCCgCg CCagCgggga gCaaaccaca to
announcement acceptable of the control of the contr
anomingage ceacagilgeit golfstjoegge Agugaeeuag uagueaueue agaaagoodg
margaliana nagacasaca assectifasas accumentas assectantas cassactantas
managing girguiccece cagaceggaa llallgaeeugg ageuaauaae auceugude 10200
tropolitation cumummentiti gooceepe goecegeed gauacuaeeu gaeeagagae zeer
according cachicacted adellacellacellacellacellacellacellacell
and the confidence of the conf
Today House House and Assistant as a second control of the control
The second communication of a calcallation of the calcallation of
managed and angularrary of the terminal and the second of the terminal and the second of the terminal and th
The standard of the standard o
The same of the sa
The second control of the control of
and a grant grant and a grant
The second secon
The same and the s
garagaran assagircal asaccicant ascidental actions and action and action as a constant assagircant assagircant
gcagaucaug u
9000

<210> 15

<211> 9707

<212> RNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: replicon RNA comprising full-length Hepatitis C virus genomic RNA derived from JFH-1 clone, wherein an amino acid motif GDD has been mutated into GND

<400> 15 gaauucuaau acgacucacu auagaccugc cccuaauagg ggcgacacuc cgccaugaau 60 cacuccecug ugaggaacua cugucuucac gcagaaagcg ccuagccaug gcguuaguau 120 gagugucgua cagccuccag gcccccccu cccgggagag ccauaguggu cugcggaacc 180 ggugaguaca ccggaauugc cgggaagacu ggguccuuuc uuggauaaac ccacucuaug 240 cccggccauu ugggcgugcc cccgcaagac ugcuagccga guagcguugg guugcgaaag 300 gccuuguggu acugccugau agggcgcuug cgagugcccc gggaggucuc guagaccgug 360 caccaugage acaaauccua aaccucaaag aaaaaccaaa agaaacacca accgucgccc 420 agaagacguu aaguucccgg gcggcggcca gaucguuggc ggaguauacu uguugccgcg 480 caggggcccc agguugggug ugcgcacgac aaggaaaacu ucggagcggu cccagccacg 540 ugggagacge cageceauce ceaaagaueg gegeueeaeu ggeaaggeeu ggggaaaaee 600 aggucgecee uggeceeuau augggaauga gggaeuegge ugggeaggau ggeueeugue 660 ccccgagge ucucgccccu ccuggggccc cacugacccc cggcauaggu cgcgcaacgu 720 ggguaaaguc aucgacaccc uaacgugugg cuuugccgac cucauggggu acauccccgu 780 cguaggegee eegeuuagug gegeegeeag ageuguegeg eaeggeguga gagueeugga 840 ggacgggguu aauuaugcaa cagggaaccu acccgguuuc cccuuuucua ucuucuugcu 900 ggcccuguug uccugcauca ccguuccggu cucugcugcc caggugaaga auaccaguag 960 cagcuacaug gugaccaaug acugcuccaa ugacagcauc acuuggcagc ucgaggcugc 1020 gguucuccac guccccgggu gcgucccgug cgagagagug gggaauacgu cacgguguug 1080 ggugccaguc ucgccaaaca uggcugugcg gcagcccggu gcccucacgc agggucugcg 1140 gacgcacauc gauaugguug ugaugucege caecuucuge ucugeucucu acguggggga 1200 ccucugugge ggggugauge ucgeggeeea gguguucaue gucuegeege aguaeeaeug 1260 guuugugcaa gaaugcaauu gcuccaucua cccuggcacc aucacuggac accgcauggc 1320 augggacaug augaugaacu ggucgcccac ggccaccaug auccuggcgu acgugaugcg 1380 cguccccgag gucaucauag acaucguuag cggggcucac uggggcguca uguucggcuu 1440 ggccuacuuc ucuaugcagg gagcgugggc gaaggucauu gucauccuuc ugcuggccgc 1500 ugggguggac gegggeacca ceaeeguugg aggegeuguu geaeguucca ceaaegugau 1560 ugceggegug uucageeaug geeeucagea gaacauucag cucauuaaca ecaaeggeag 1620 uuggeacaue aaceguaeug eeuugaauug caaugaeuee uugaacaeeg geuuueuege 1680 ggccuuguuc uacaccaacc gcuuuaacuc gucagggugu ccagggcgcc uguccgccug 1740 cegeaacauc gaggeuuuce ggauagggug gggeacecua eaguaegagg auaaugueae 1800 caauccagag gauaugaggc cguacugcug gcacuacccc ccaaagccgu guggcguagu 1860 ccccgcgagg ucugugugug gcccagugua cuguuucacc cccagcccgg uaguaguggg 1920 cacgaccgac agacguggag ugcccaccua cacaugggga gagaaugaga cagaugucuu 1980 ccuacugaac agcaccegac cgccgcaggg cucaugguuc ggcugcacgu ggaugaacuc 2040 cacugguuuc accaagacuu guggcgcgcc accuugccgc accagagcug acuucaacgc 2100 cagcacggac uuguugugcc cuacggauug uuuuaggaag cauccugaug ccacuuauau 2160 uaaguguggu ucugggcccu ggcucacacc aaagugccug guccacuacc cuuacagacu 2220 cuggcauuac cccugcacag ucaauuuuac caucuucaag auaagaaugu auguaggggg 2280 gguugagcac aggcucacgg ccgcaugcaa cuucacucgu ggggaucgcu gcgacuugga 2340 ggacagggac aggagucagc ugucuccucu guugcacucu accacggaau gggccauccu 2400 gcccugcacc uacucagacu uacccgcuuu gucaacuggu cuucuccacc uucaccagaa 2460 caucguggac guacaauaca uguauggccu cucaccugcu aucacaaaau acgucguucg 2520 augggagugg gugguacucu uauuccugcu cuuagcggac gccagagucu gcgccugcuu 2580

2640
guggaugeue aucuuguugg geeaggeega ageageauug gagaaguugg uegueuugea 2640
and a description of the second secon
and a solid agreement in a light colling according a decidence and a solid agreement and a solid agreement and a solid agreement and a solid agreement agree
amougacina cugancanag cacinaccea geaggendan geedangaeg eaceagagea 2020
a management and an analysis of the second design and the second d
and an action of the control of the
The second of th
and a missing of the control of the
manager course of the course o
and a support of the
manage account introducting acapallagat, lighter annualisate accountages
The state of the s
The second of the second secon
activities of activities in the contraction of the
The same of the constitution of the constituti
managery regression in the regression of the reg
The second computation of the second control of the second
The second remainded to the control of the control
TO O MOLITORIA MICOLICCO O CIICOSASACO CEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEEE
TO THE PROPERTY LICENCE CHILDS ACCORDING THE PROPERTY OF THE P
amagnuage cucinicogae caecijoliolio Cucucgage guggecaaau coaaogaaaa o
and a committee of the
management migreecages cellalicaggii eggguaeung cangeneeaa enggongage
and the second second control of the second
account of the control of the contro
Proposition of the second seco
anouggeon unitelicaced allogogoecilg cochageage geenangaea deadeadad 19-1
amouroulde caedeligior aligellacelle caudeucgge aueggaaegg decdagaaca 1900
amagnagae accadamica dacijaacijgij gcyggcyacg gccacacce eegggaeaga
managang cauceegala llagaagagggll aggeeucggg egggagggug agadeeeda 1000
Caronaca accomplicace 11810cl[608] (Caronacacacacacacacacacacacacacacacacacacac
anapaggan agamara gariiraraga ggccccuucgg ggcaugggcu agaaagooga
manuacioni agaggminiag aconciliccan adudeccageu cagggagaug ussussussussussussussussussussussussuss
anagagara recententing coordilacae illogagaettuu gaetteegta tegaetteetta 2. 2.
TO CHARLES GRANDER OF THE
and an action of the state of the sta
The same of the sa
The second design of the secon
The second description of the second description of the second of the se
THE PARTIES OF THE PROPERTY OF
TOTAL SCORE DEMINAGINE HISTORIOGNOU NOILCHIERCH RECRUCECE CHARACTER
manusca coccurcial allagoacillii ilayigagaug gaggaaugeg ecuedagage
gccggauaag gagguccugu augaggeudu uguagaga b b b b b b b b b b b b b b b b b

	gccucuaagc					
	caauuuuggg					
	ucaacacugc					
	aguccguugu					
guuagcgucc	cagaucgcac	cacccgcggg	ggccaccggc	uuugucguca	guggccuggu	5880
	gugggcagca					
uggugcgggc	auuucggggg	cccucgucgc	auucaagauc	augucuggcg	agaagcccuc	6000
uauggaagau	gucaucaauc	uacugccugg	gauccugucu	ccgggagccc	uggugguggg	6060
ggucaucugc	gcggccauuc	ugcgccgcca	cgugggaccg	ggggagggcg	cgguccaaug	6120
gaugaacagg	cuuauugccu	uugcuuccag	aggaaaccac	gucgccccua	cucacuacgu	6180
gacggagucg	gaugcgucgc	agcgugugac	ccaacuacuu	ggcucucuua	cuauaaccag	6240
ccuacucaga	agacuccaca	auuggauaac	ugaggacugc	cccaucccau	gcuccggauc	6300
cuggcuccgc	gacguguggg	acuggguuug	caccaucuug	acagacuuca	aaaauuggcu	6360
gaccucuaaa	uuguucccca	agcugcccgg	ccuccccuuc	aucucuuguc	aaaaggggua	6420
caagggugug	ugggccggca	cuggcaucau	gaccacgcgc	ugcccuugcg	gcgccaacau	6480
cucuggcaau	guccgccugg	gcucuaugag	gaucacaggg	ccuaaaaccu	gcaugaacac	6540
cuggcagggg	accuuuccua	ucaauugcua	cacggagggc	cagugcgcgc	cgaaaccccc	6600
cacgaacuac	aagaccgcca	ucuggagggu	ggcggccucg	gaguacgcgg	aggugacgca	6660
gcaugggucg	uacuccuaug	uaacaggacu	gaccacugac	aaucugaaaa	uuccuugcca	6720
acuaccuucu	ccagaguuuu	ucuccugggu	ggacggugug	cagauccaua	gguuugcacc	6780
cacaccaaag	ccguuuuuucc	gggaugaggu	cucguucugc	guugggcuua	auuccuaugc	6840
ugucgggucc	cagcuucccu	gugaaccuga	gcccgacgca	gacguauuga	gguccaugcu	6900
aacagauccg	ccccacauca	cggcggagac	ugcggcgcgg	cgcuuggcac	ggggaucacc	6960
uccaucugag	gcgagcuccu	cagugagcca	gcuaucagca	ccgucgcugc	gggccaccug	7020
caccacccac	agcaacaccu	augacgugga	cauggucgau	gccaaccugc	ucauggaggg	7080
cgguguggcu	cagacagagc	cugaguccag	ggugcccguu	cuggacuuuc	ucgagccaau	7140
ggccgaggaa	gagagcgacc	uugagcccuc	aauaccaucg	gagugcaugc	uccccaggag	7200
cggguuucca	cgggccuuac	cggcuugggc	acggccugac	uacaacccgc	cgcucgugga	7260
aucguggagg	aggccagauu	accaaccgcc	caccguugcu	gguugugcuc	uccccccc	7320
caagaaggcc	ccgacgccuc	ccccaaggag	acgccggaca	gugggucuga	gcgagagcac	7380
cauaucagaa	gcccuccagc	aacuggccau	caagaccuuu	ggccagcccc	ccucgagcgg	7440
ugaugcaggc	ucguccacgg	gggcgggcgc	cgccgaaucc	ggcgguccga	cguccccugg	7500
ugagccggcc	cccucagaga	cagguuccgc	cuccucuaug	ccccccucg	agggggagcc	7560
uggagauccg	gaccuggagu	cugaucaggu	agagcuucaa	ccucccccc	agggggggg	7620
gguagcuccc	gguucgggcu	cggggucuug	gucuacuugc	uccgaggagg	acgauaccac	7680
cgugugcugc	uccaugucau	acuccuggac	cggggcucua	auaacucccu	guageceega	7740
agaggaaaag	uugccaauca	acccuuugag	uaacucgcug	uugcgauacc	auaacaaggu	7800
guacuguaca	acaucaaaga	gcgccucaca	gagggcuaaa	aagguaacuu	uugacaggac	7860
gcaagugcuc	gacgcccauu	augacucagu	cuuaaaggac	aucaagcuag	cggcuuccaa	7920
ggucagcgca	aggcuccuca	ccuuggagga	ggcgugccag	uugacuccac	cccauucugc	7980
aagauccaag	uauggauucg	gggccaagga	gguccgcagc	uuguccggga	gggccguuaa	8040
ccacaucaag	uccgugugga	aggaccuccu	ggaagaccca	caaacaccaa	uucccacaac	8100
caucauggcc	aaaaaugagg	uguucugcgu	ggaccccgcc	aaggggggua	agaaaccagc	8160
	guuuacccug					
	aagcuuccuc					
	guggaguauc					
	acccgaugcu					
	caggccugcu					
	uacguaggag					
	gccagcgggg					
				111 美军事制。		0 0 0

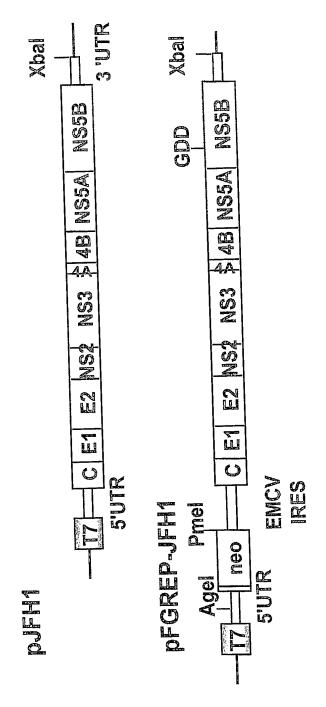
```
gaaagcccua gcggccugca aggcugcggg gauaguugcg cccacaaugc ugguaugcgg 8640
caaugaccua guagucaucu cagaaagcca ggggacugag gaggacgagc ggaaccugag 8700
agccuucacg gaggccauga ccagguacuc ugccccuccu ggugaucccc ccagaccgga 8760
auaugaccug gagcuaauaa cauccuguuc cucaaaugug ucuguggcgu ugggcccgcg 8820
gggccgccgc agauacuacc ugaccagaga cccaaccacu ccacucgccc gggcugccug 8880
ggaaacaguu agacacuccc cuaucaauuc auggcuggga aacaucaucc aguaugcucc 8940
aaccauaugg guucgcaugg uccuaaugac acacuucuuc uccauucuca ugguccaaga 9000
cacccuggac cagaaccuca acuuugagau guauggauca guauacuccg ugaauccuuu 9060
ggaccuucca gccauaauug agagguuaca cgggcuugac gccuuuucua ugcacacaua 9120
cucucaccac gaacugacge ggguggcuuc agcccucaga aaacuugggg cgccaccccu 9180
cagggugugg aagagucggg cucgcgcagu cagggcgucc cucaucuccc guggagggaa 9240
ageggeeguu ugeggeegau aucucuucaa uugggeggug aagaccaage ucaaacucac 9300
uccauugccg gaggcgcc uacuggacuu auccaguugg uucaccgucg gcgccggcgg 9360
gggcgacauu uuucacagcg ugucgcgcgc ccgaccccgc ucauuacucu ucggccuacu 9420
ccuacuuuuc guagggguag gccucuuccu acuccccgcu cgguagagcg gcacacacua 9480
диасасисс виадсиваси дииссиинии ининичний ининичний ининичний ининичний 9540
ининини инининини иниссенсии исписсение псансинали спасинисии 9600
ucuugguggc uccaucuuag cccuagucac ggcuagcugu gaaagguccg ugagccgcau 9660
gacugcagag agugccguaa cuggucucuc ugcagaucau gucuaga
                                                                  9707
<210> 16
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Description of Artificial Sequence:primer
<400> 16
cgggagagcc atagtgg
                                                                  17
<210> 17
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Description of Artificial Sequence:primer
<400> 17
agtaccacaa ggcctttcg
                                                                  19
<210> 18
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
```

<220> <223> Description of Artificial Sequence:primer	
<400> 18 ctgcggaacc ggtgagtaca c	21
<210> 19 <211> 20 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Description of Artificial Sequence:primer	
<400> 19 aacaagatgg attgcacgca	20
<210> 20 <211> 20 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Description of Artificial Sequence:primer	
<400> 20	20

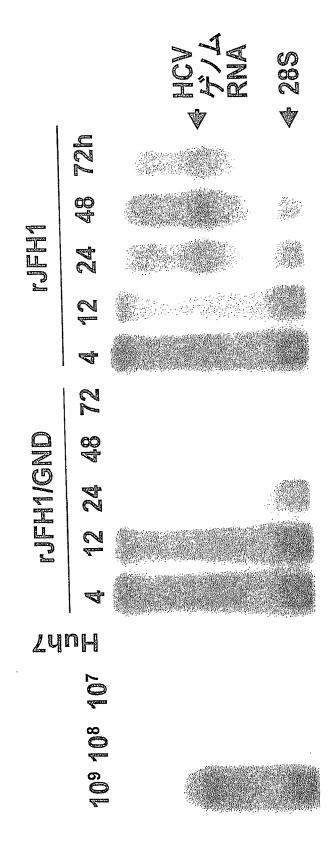
cgtcaagaag gcgatagaag

20

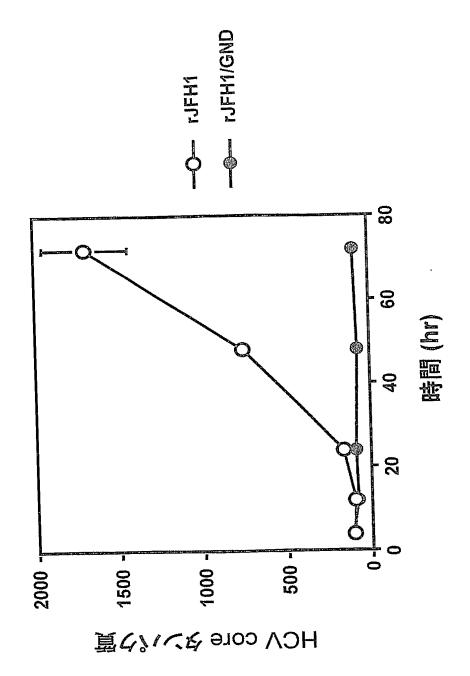
【書類名】図面【図1】

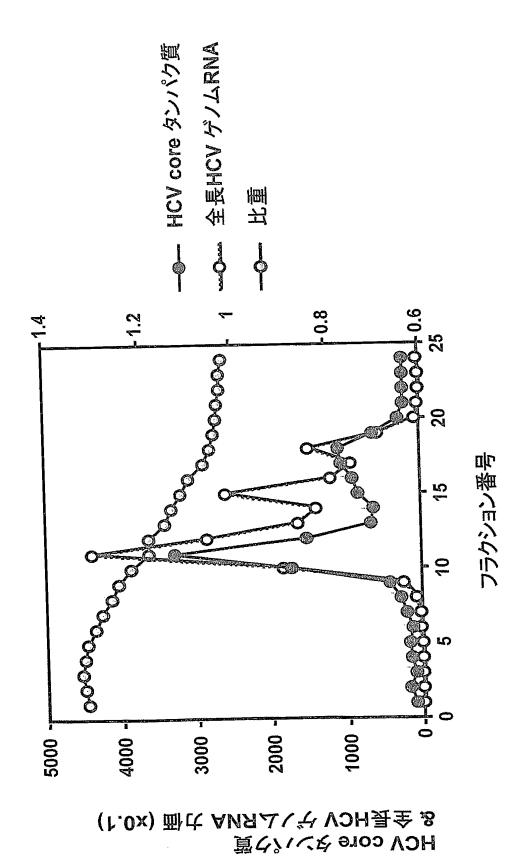


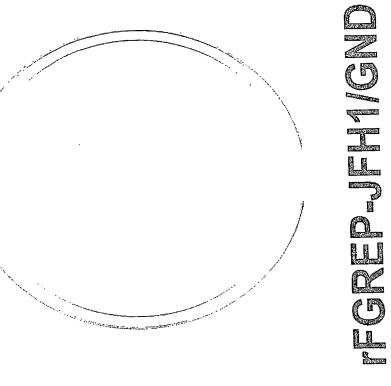




【図3】



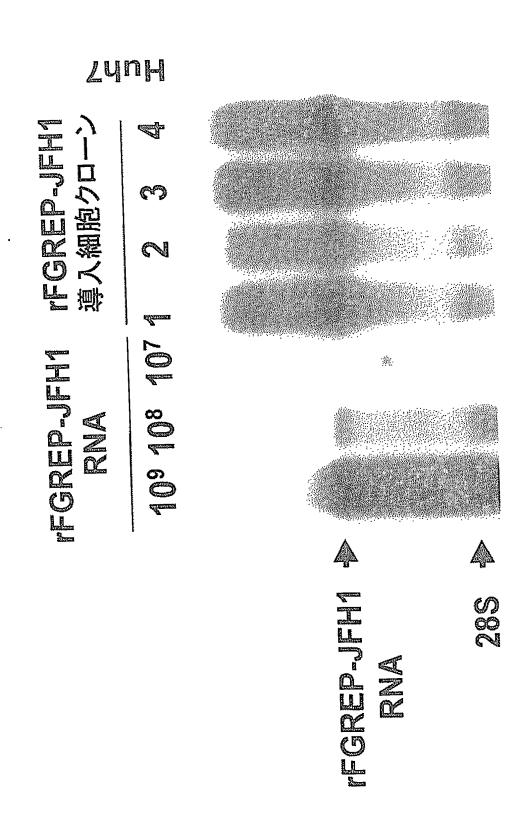


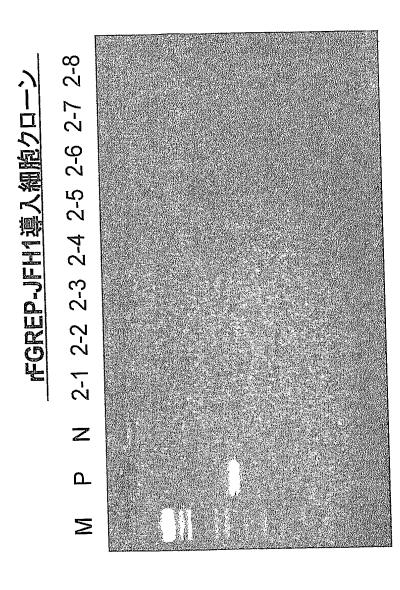


ING RNA PJYZJZJZJZ



【図6】





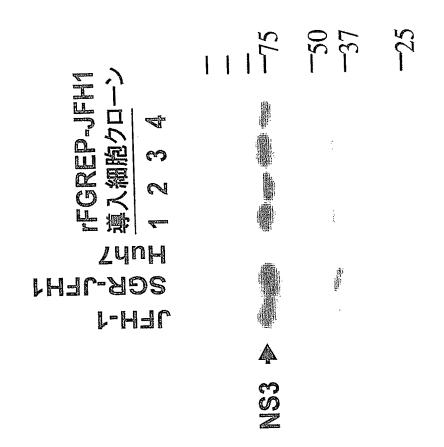
【図8】

-75 -37 -25

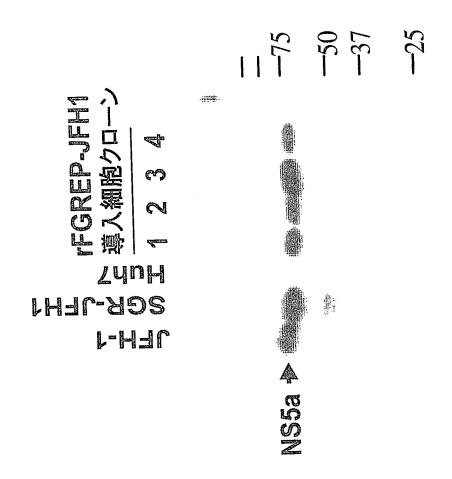
H-1FHA SCREP-7FHA SCREP-7FHA SCH 2 3 4



【図9】



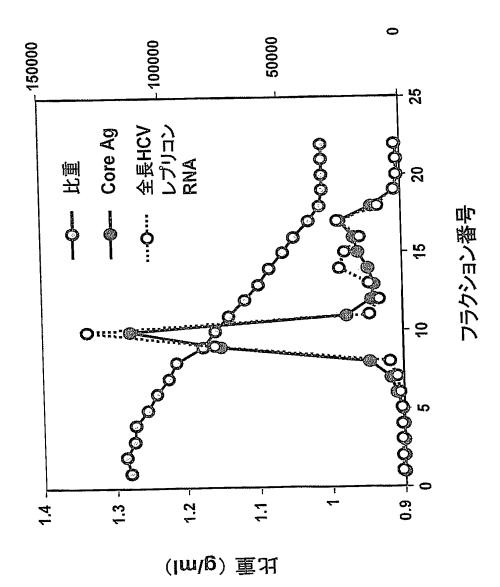
【図10】



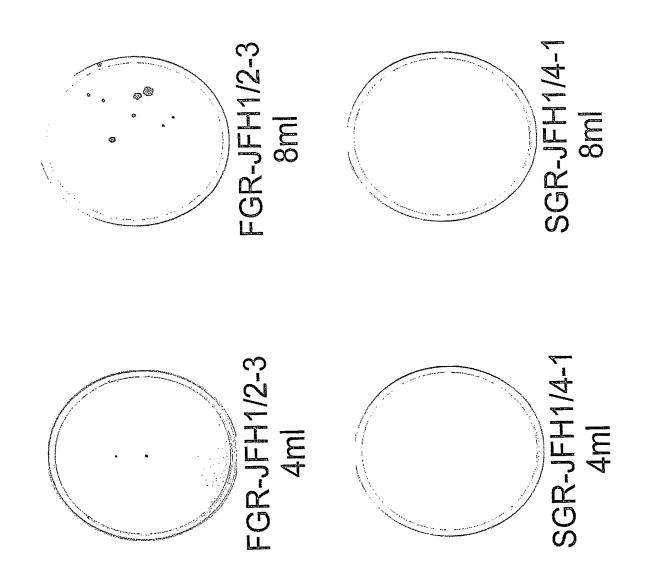


【図11】

Core Ag (fmol/L) & HCVレントリンドストライト (×0.1)



【図12】





【書類名】要約書

【要約】

HCV全長ゲノム配列を含むRNAを効率良く複製する方法、及び全長HCVレプリコ 【課題】 ンRNA又は全長HCVゲノムRNAを含有するHCVウイルス粒子を細胞培養系により製造する方法 の提供。

遺伝子型2aのC型肝炎ウイルスの全長ゲノムRNA配列と、少なくとも1つ 【解決手段】 の選択マーカー遺伝子及び/又は少なくとも1つのリポーター遺伝子と、少なくとも1つ のIRES配列とを含む塩基配列からなるレプリコンRNA、あるいは遺伝子型2aのC型肝炎ウ イルスの全長ゲノムRNAを導入した細胞を培養して、培養物中にウイルス粒子を産生させ ることを含む、C型肝炎ウイルス粒子の製造方法。

【選択図】 なし



特願2004-045489

出願人履歴情報

識別番号

[591063394]

1. 変更年月日 [変更理由] 住 所 氏 名

2001年10月 9日 住所変更 東京都新宿区西新宿二丁目8番1号 財団法人 東京都医学研究機構



特願2004-045489

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号

[000003159]

1. 変更年月日 [変更理由] 住 所

氏 名

2002年10月25日 住所変更 東京都中央区日本橋室町2丁目2番1号 東レ株式会社